

FORMATO CURRICULUM VITAE DIRECTIVOS Y ACADÉMICOS

A. ANTECEDENTES PERSONALES

1. Nombres	: Claudio Antonio
2. Apellidos	: Meneses Araya
3. RUT	:
4. Cargo	: Profesor Asociado
5. Tipo de contrato	: Indefinido
6. Jornada de contrato	: Completa
7. Facultad	: Facultad de Agronomía e Ing. Forestal/ Facultad de Cs. Biológicas
8. Departamneto	: Depto. de Fruticultura y Enología/ Depto. Gen. Mol. y Microb.
9. Carrera	:
10. Año de ingreso	: Marzo de 2022
11. Fecha de Nacimiento	: 7 de agosto de 1977
12. Ciudad de Nacimiento	: Santiago
13. Nacionalidad	: Chilena
14. Estado Civil	: Casado
15. Sexo	: Masculino
16. Dirección particular:	
16.1. Calle/ N°	: Av. Vicuña Mackena 4860
16.2. Comuna	: San Joaquín
16.3 Ciudad	: Santiago
17. Teléfonos	
17.1 N° Casa	: +56 2 22431877
17.2 N° Celular	: +56 9 6919 2786
18. Correo electrónico	: claudio.meneses@uc.cl / clamenes@gmail.com

B. DATOS TRABAJO ACTUAL

19. Nombre Empresa : Pontificia Universidad Católica de Chile
20. Nombre del cargo : Profesor Asociado

21. Dirección de la empresa

21.1 Calle : Av. Vicuña Mackena 4860
21.2 Comuna : San Joaquín
21.3 Ciudad : Santiago
22. Teléfono de trabajo actual : + 56 2 2354 4113

C. ESTUDIOS, TITULOS Y GRADOS

23. Título Profesional

23.1 Nombre título	23.2 Institución que lo otorgó	23.3 País de la institución	23.4 Año
Ingeniero Agrónomo	Universidad de Chile	Chile	2005

24. Grado Académico

24.1 Nombre grado	24.2 Nombre institución	24.3 País	24.4 Año
Licenciatura en Cs. Agronómicas	Universidad de Chile	Chile	2004

25. Post Grado

25.1 Nombre post grado	25.2 Nombre institución	25.3 País	25.4 Año
DEA (equivalente a M.Sc.)	Universitat de Lleida/ CRAG	España	2009
Doctorado en Sistemas Agrícolas, Forestales y Alimentarios	Universitat de Lleida/ CRAG	España	2011

25.5 Tipo estadía Postgrado	25.6 Nombre institución	25.7 País	25.8 Año
Post-doctorado	Universidad Andrés Bello/ FONDAP	Chile	2012
Estadías en el Especialización en el Extranjero para Académicos del Claustro del Programa de Doctorado en Biotecnología	Istituto di Genómico Aplícate (IGA)	Italia	2014/ 2mes

26. Post Títulos

26.1 Nombre post título o diploma	26.2 Nombre institución	26.3 País	26.4 Año	26.5 Duración en semestres
Curso de postgrado Mejoramiento y selección en frutales de carozo	CEFYBO-CONICET y la DOFI-Università degli Studi di Firenze	Italia	2004	1

D. JERARQUIZACIÓN ACADÉMICA

27. Máxima jerarquía alcanzada

<i>27.1 Categoría</i>	<i>27.2 Nombre institución</i>	<i>27.3 País</i>	<i>27.4 Año</i>
Profesor Titular	Universidad Andrés Bello	Chile	2020
Profesor Asociado	Pontificia Universidad Católica de Chile	Chile	2022

E. ÁREAS DE ESPECIALIDAD

28. Nombre de la(s) especialidad(es)

Genómica
Genética vegetal
Bioinformática
Bioestadística
Mejoramiento genético en plantas

F. EXPERIENCIA LABORAL

29. Cargos ocupados

<i>29.1 Empresa u Organización</i>	<i>29.2 Nombre del cargo</i>	<i>29.3 Años inicio año final</i>
Pontificia Universidad Católica de Chile	Profesor Asociado	2020-hasta la fecha
Universidad Andrés Bello	Profesor Titular	2020-2022
Universidad Andrés Bello	Profesor Asociado	2017-2020
Universidad Andrés Bello	Profesor Asistente	2012-2016
Centro de Investigación Agro-Genómica (CRAG; Barcelona/España)	Investigador en formación	2011
Universidad de Chile	Instructor	2007-2011

30. Pertenencia a directorios de empresas

<i>30.1 Empresa u Organización</i>	<i>30.2 Años inicio año final</i>

31. Otras actividades laborales relevantes

<i>31.1 Empresa u Organización</i>	<i>31.2 Descripción actividad</i>	<i>31.3 Años inicio año final</i>

G. ACTIVIDADES ACADÉMICAS

32. Docencia pregrado

<i>32.1 Curso</i>	<i>32.2 Nombre institución</i>	<i>32.3 País</i>	<i>32.4 Año</i>
Ing. Genética y Biotec. Vegetal (BIT210)	Universidad Andrés Bello	Chile	2013
Genómica de Plantas (BIT320)	Universidad Andrés Bello	Chile	2014-2016
Herramientas genómicas (BITP002)	Universidad Andrés Bello	Chile	2016
Herramientas genómicas (BIO394)	Universidad Andrés Bello	Chile	2016- 2017
Herramientas genómicas (BIOL340)	Universidad Andrés Bello	Chile	2017-2021

<i>32.5 Memorias o Seminarios o Talleres de Título dirigidos</i>	<i>32.6 Nombre institución</i>	<i>32.7 País</i>	<i>32.8 Año</i>

<i>32.9 Memorias o Seminarios o Talleres de Título patrocinados</i>	<i>32.10 Nombre institución</i>	<i>32.11 País</i>	<i>32.12 Año</i>

<i>32.13 Memorias o Seminarios o Talleres de Título - Miembro Comisiones</i>	<i>32.14 Nombre institución</i>	<i>32.15 País</i>	<i>32.16 Año</i>
Sebastián Chávez/ Lic. en Biología	Universidad Andrés Bello	Chile	2014
Roberto Bascuñán/ Lic. en Biología	Universidad Andrés Bello	Chile	2015
Evelyn Espinosa/ Lic. en Biología	Universidad Andrés Bello	Chile	2015
Sebastián Naur/ Ing. en Biotecnología	Universidad Andrés Bello	Chile	2016
Natalie Lebrun/ Ing. en Biotecnología	Universidad Andrés Bello	Chile	2016
Paula Sandoval/ Biología	Universidad Andrés Bello	Chile	2018

<i>32.17 Unidades de investigación pregrado dirigidas</i>	<i>32.18 Nombre institución</i>	<i>32.19 País</i>	<i>32.20 Año</i>
Felipe Oñate/ Ing. en Biotec. Vegetal	Universidad de Concepción	Chile	2013
Tomas Escorza/ Ing. en Biotecnología	Universidad Andrés Bello	Chile	2013
Vanessa Almache/ Ing. en Biotecnología	Universidad de las Américas	Ecuador	2015
Marcela Acosta/ Ing. en Biotecnología	Universidad de las Américas	Ecuador	2015
Gabriela Jiménez/ Ing. en Biotecnología	Universidad Andrés Bello	Chile	2014
Tamara Huber/ Ing. en Biotecnología	Universidad Andrés Bello	Chile	2015
Lisette Ulloa/ Ing. en Biotecnología	Universidad Andrés Bello	Chile	2015
Verónica Arenas/ Ing. en Biotecnología	Universidad Andrés Bello	Chile	2015
Diego Peña/ Ing. en Biotecnología	Universidad Andrés Bello	Chile	2016
Alvaro Barahona/Ing. en Biotecnología	Universidad Andrés Bello	Chile	2019
Bruno Romero/Ing. en Biotecnología	Universidad Andrés Bello	Chile	2020
Matías Salinas/Ing. en Biotecnología	Universidad Andrés Bello	Chile	2021
Valentina Torrejón/Ing. en Biotecnología	Universidad Andrés Bello	Chile	2022

33.Docencia postgrado

33.1 Curso	33.2 Nombre institución	33.3 País	33.4 Año
Diseño Experimental y Análisis de Datos <i>Magíster Biotecnología y Cs. de la Vida</i>	Universidad Andrés Bello	Chile	2017-2018
Identificación y edición de genes para aplicaciones biotecnológicas <i>Magíster Biotecnología y Cs. de la Vida</i>	Universidad Andrés Bello	Chile	2017-2018
Análisis de Datos en Genómica y Biomedicina <i>Doctorado en Biociencias Moleculares</i>	Universidad Andrés Bello	Chile	2017-2018
Mejoramiento Genético Frutal (Invitado) <i>Magíster en Cs. Agropecuarias</i>	Universidad de Chile	Chile	2018
Curso Avanzado en Aplicaciones de la Biología Vegetal a la Industria Frutícola <i>Doctorado en Biotecnología</i>	Universidad Andrés Bello	Chile	2015-2018
Bioinformática Genómica <i>Doctorado en Biotecnología</i>	Universidad Andres Bello	Chile	2020-2021
Fitomejoramiento Molecular (Invitado) <i>Doctorado en Biotecnología Vegetal</i>	Pontificia Universidad Católica de Chile	Chile	2018-2021
Tópicos en Ciencias Biológicas y Biotecnología <i>Doctorado en Biotecnología</i>	Universidad Andrés Bello	Chile	2020-2021
33.5 Dirección de Tesis de Postgrado	33.6 Nombre institución	33.7 País	33.8 Año
MAGISTER			
Gerardo Núñez/ Biotecnología	Universidad Andrés Bello	Chile	2014
Tomás Carrasco/ Biotecnología	Universidad Andrés Bello	Chile	2016
Cristian Vergara/ Bioquímica	Universidad Andrés Bello	Chile	2017
Miguel Rubilar/ Bioquímica	Universidad Andrés Bello	Chile	2017
Verónica Arenas/ Biotecnología	Universidad Andrés Bello	Chile	2018
Paulette Antiquero/ Biotecnología	Universidad Andrés Bello	Chile	2017
Lisette Ulloa/ Biotecnología	Universidad Andrés Bello	Chile	2019
Pamela González/ Biotecnología	Universidad Andrés Bello	Chile	2018
Cristóbal Balladares/ Biotecnología	Universidad Andrés Bello	Chile	2017
Anibal Riveros/ Biotecnología	Universidad Andrés Bello	Chile	2020
Paula Sandoval/ Biotec. y Cs. de la Vida	Universidad Andrés Bello	Chile	2021
Alonso Espinoza/ Biotecnología	Universidad Andrés Bello	Chile	En ejecución
Wellasmin Pérez Reyes/ Biotec. y Cs. de la Vida	Universidad Andrés Bello	Chile	2022
Valentina Torrejón/ Biotec. y Cs. de la Vida	Universidad Andrés Bello	Chile	En ejecución

DOCTORADO			
Caracterización fenotípica y genotípica del ablandamiento <i>Pruus persica</i> durante la maduración. <i>Alejandra Cifuentes/ PhD</i>	Universidad de Chile <i>Doctorado en Ciencias Silvoagropecuarias y Veterinarias</i>	Chile	2017
Identificación de marcadores moleculares y genes candidatos asociados a la regulación de fecha de cosecha, contenido de sólidos solubles y harinosidad en <i>Prunus persica</i> utilizando DNA-seq y RNA-seq. <i>Gerardo Núñez/ PhD</i>	Universidad Andrés Bello <i>Doctorado en Biotecnología</i>	Chile	2019
Caracterización de la variabilidad genética de los clones de las variedades de <i>Vitis vinifera</i> utilizadas por las viñas chilenas. <i>Claudio Urra/ PhD</i>	Universidad Andrés Bello <i>Doctorado en Biotecnología</i>	Chile	2020
Caracterización transcriptómica y epigenética de los mecanismos de dormancia en cerezo (<i>Prunus avium</i>). <i>Karin Rothkegel/ PhD</i>	Universidad Andrés Bello <i>Doctorado en Biotecnología</i>	Chile	2020
Analysis of copper tolerance response in Imperata cylindrica growing under Cu stress by means of de novo transcriptome assembly <i>Catalina Vidal/ PhD(c)</i>	Universidad de la Frontera <i>Doctorado en Recursos Naturales</i>	Chile	2021
Caracterización transcriptómica durante la infección de <i>Pseudomonas syringae</i> DC3000 a <i>Arabidopsis thaliana</i> usando RNA-seq dual. <i>Isabel Fuenzalida/ PhD(c)</i>	Universidad Andrés Bello <i>Doctorado en Biociencias Moleculares</i>	Chile	En ejecución
Estado fisiológico en cosecha: claves para entender la heterogeneidad y comportamiento de la maduración de palta Hass. <i>Ignacia Hernández</i>	P. Universidad Católica de Valparaíso <i>Doctorado en Ciencias Agroalimentarias</i>	Chile	2022
Caracterización genómica y transcriptómica de <i>Cistanthe longiscapa</i> . <i>Patricio Tapia</i>	Universidad Andrés Bello <i>Doctorado en Bioinformática y Biología de Sistemas</i>	Chile	En ejecución

33.9 Tesis de Postgrado: evaluación y participación en comisiones anteproyectos tesis	33.10 Nombre institución	33.11 País	33.12 Año
MAGISTER			
Daniela Muñoz/ Biotecnología	Universidad Andrés Bello	Chile	2013
Miguel Ibeas/ Biotecnología	Universidad Andrés Bello	Chile	2014
Diego Andrade/ Biotecnología	Universidad Andrés Bello	Chile	2014
Gianfranco Benedetto/ Biotecnología	Universidad Andrés Bello	Chile	2014
Mara Cuevas/ Biotecnología	Universidad Andrés Bello	Chile	2014
Catherine Méndez/ Biotecnología	Universidad Andrés Bello	Chile	2014
Víctor Aballai/ Biotecnología	Universidad Andrés Bello	Chile	2015
Tamara Peredo/ Biotecnología	Universidad Andrés Bello	Chile	2015
Christofer Jaque/ Biotecnología	Universidad Andrés Bello	Chile	2015
Tamara Hube/ Biotecnología	Universidad Andrés Bello	Chile	2015
Francisca Cabello/ Biotecnología	Universidad Andrés Bello	Chile	2016
Bárbara Valenzuela/ Cs. Agronómicas	Universidad de Chile	Chile	2016
Amanda Donoso/ Cs. Agronómicas	Universidad de Chile	Chile	2018
Macarena Suazo/ Cs. Agronómicas	Universidad de Chile	Chile	2018
Luciano Univaso/Bioquímica	Universidad Andrés Bello	Chile	2019

DOCTORADO			
Maribel Mamani	Universidad de Chile	Chile	2015
Karen Mujica	Universidad de Chile	Chile	2015
Catalina Vidal	Universidad de La Frontera	Chile	2015
Marco Meneses	Universidad de Chile	Chile	2016
Hernán Salinas	Universidad Andrés Bello	Chile	2016
Christian Silva	Universidad Andrés Bello	Chile	2016
Rodrigo Ortiz	Universidad Andrés Bello	Chile	2017

33.13 Tesis de Postgrado: evaluación de tesis y participación en exámenes de grado. Indicar en los casos en que fue Presidente de la Comisión	33.14 Nombre institución	33.15 País	33.16 Año
---	--------------------------	------------	-----------

MAGISTER

Daniela Muñoz/ Biotecnología	Universidad Andrés Bello	Chile	2013
Felipe Moraga/ Biotecnología	Universidad Andrés Bello	Chile	2014
Troy Ejsmentewicz/ Bioquímica	Universidad Andrés Bello	Chile	2014
Miguel Ibeas/ Biotecnología	Universidad Andrés Bello	Chile	2015
Tamara Peredo/ Biotecnología	Universidad Andrés Bello	Chile	2015
Carlos Pizarro/ Bioquímica	Universidad Andrés Bello	Chile	2015
Camila Peralta/ Bioquímica	Universidad Andrés Bello	Chile	2015
Diego Andrade/ Biotecnología	Universidad Andrés Bello	Chile	2015
María Jesús Galleguillos/ Bioquímica	Universidad Andrés Bello	Chile	2015
Gianfranco Benedetto/ Biotecnología	Universidad Andrés Bello	Chile	2015
Mara Cuevas/ Biotecnología	Universidad Andrés Bello	Chile	2016
Katherine Méndez/ Biotecnología	Universidad Andrés Bello	Chile	2016
Christofer Jaque/ Biotecnología	Universidad Andrés Bello	Chile	2016
Natalie Lebrun-Pinochet/ Biotecnología	Universidad Andrés Bello	Chile	2016
Sebastián Naur/ Biotecnología	Universidad Andrés Bello	Chile	2016
Evelyn Espinoza/ Bioquímica	Universidad Andrés Bello	Chile	2017
Francisca Cabello/ Biotecnología	Universidad Andrés Bello	Chile	2017
Lorena Melet/ Biotecnología	Universidad Andrés Bello	Chile	2017
Víctor Aballai/ Biotecnología	Universidad Andrés Bello	Chile	2017
Roberto Cerro/Bioquímica	Universidad Andrés Bello	Chile	2017
Tamara Peredo/ Biotecnología	Universidad Andrés Bello	Chile	2017
Fabián Herrera/ Biotecnología	Universidad Andrés Bello	Chile	2018

DOCTORADO

Maribel Mamani	Universidad de Chile	Chile	2018
Karen Mujica	Universidad de Chile	Chile	2020
Marco Meneses	Universidad de Chile	Chile	2020
Hernán Salinas	Universidad Andrés Bello	Chile	2019
Christian Silva	Universidad Andrés Bello	Chile	2019
Giovanna Cáceres	Universidad Andrés Bello	Chile	2020
Pol Rey	Universidad Autónoma de Barcelona	Chile	2020

33.17 Doctorado: evaluación y miembro de comisión de exámenes de calificación. Indicar en los casos en que fue Presidente de la Comisión	33.18 Nombre institución	33.19 País	33.20 Año
Maribel Mamani	Universidad de Chile	Chile	2015
Karen Mujica	Universidad de Chile	Chile	2015
Marco Meneses	Universidad de Chile	Chile	2016-2018
Hernán Salinas	Universidad Andrés Bello	Chile	2016-2018
Christian Silva	Universidad Andrés Bello	Chile	2016-2018
Catalina Cortés	Universidad Andrés Bello	Chile	2019

33.21 Dirección de unidades de investigación en Postgrado. Indicar Duración de la Unidad	33.22 Nombre institución	33.23 País	33.24 Año
MAGISTER			
Anibal Riveros/ 6 meses	Universidad Andrés Bello	Chile	2017
René Poblete/ 6 meses	Universidad Andrés Bello	Chile	2017
Alonso Espinoza/ 6 meses	Universidad Andrés Bello	Chile	2017
DOCTORADO			
Alejandra Cifuentes	Universidad de Chile	Chile	2014
Gerardo Núñez	Universidad Andrés Bello	Chile	2015
Claudio Urra	Universidad Andrés Bello	Chile	2015
Isabel Fuenzalida	Universidad Andrés Bello	Chile	2018

34. Administración Académica

34.1 Curso	34.2 Nombre institución	34.3 País	34.4 Año
Claustro Programa de Doctorado en Biotecnología	UNAB	Chile	2016-2022
Comité innovación curricular Ingeniería en Biotecnología	UNAB	Chile	2016- 2022
Claustro Programa de Biociencias Moleculares	UNAB	Chile	2017-2022
Comité Acreditación Magíster en Biotecnología y Ciencias de la Vida	UNAB	Chile	2017
Comité Acreditación Doctorado en Biotecnología	UNAB	Chile	2017-2022
Dirección del Magíster en Biotecnología y Ciencias de la Vida	UNAB	Chile	2018-2019
Dirección Doctorado en Biotecnología	UNAB	Chile	2019-2022
Claustro Doctorado en Bioinformática y Biología de Sistemas	UNAB	Chile	2019-2022
Comité Académico Doctorado en Bioinformática y Biología de Sistemas	UNAB	Chile	2019-2022

H. PUBLICACIONES

35. Libros

35.1 Referencia completa de cada libro	35.2 Clasificación Autor(A) Editor(E)	35.3 Año publicación
Infante, R. y Meneses, C. 2006. Mejoramiento genético de frutales en Chile. Editorial CORFO-Facultad de Ciencias Agronómicas, Universidad de Chile, Chile, 69 págs.	(A)	2006
Infante, R., Giacinti, M.A., Contador, L., Echeverría, G., Lillo, V., Meneses, C., Pacheco, I., Uribe, R., Iglesias, I. 2022. EL cultivo del duraznero hacia el siglo XXI. Facultad de Ciencias Agronómicas, Universidad de Chile, 116 páginas.	(A)	2022

36. Capítulos de Libros

36.1 Referencia completa de cada capítulo de libro	36.2 Año publicación

37. Artículos en revistas indexadas por ISI

37.1 Referencia completa de cada Artículos en revistas indexadas por ISI.	37.2 Año publicación
1. Aros, D., Meneses, C. and Infante, R. (2006) Genetic diversity of wild species and cultivated varieties of alstroemeria estimated through morphological descriptors and RAPD markers. <i>Scientia Horticulturae</i> 108:86-90.	2006
2. Infante, R., Meneses, C. and Predieri, S. (2008) Sensory quality performance of two nectarine flesh typologies exposed to distant market conditions. <i>Journal of Food Quality</i> 31:526-535.	2008
3. Infante, R., Meneses, C. and Defilippi, B. (2008) Effect of harvest maturity stage on the sensory quality of 'Palsteyn' apricot (<i>Prunus armeniaca</i> L.) after cold storage. <i>Journal of Horticultural Science and Biotechnology</i> 81:828-832.	2008
4. Donoso, J.M., Aros, D., Meneses, C. , Narváez, C. and Infante, R. (2008) Genetic relationships in apricot (<i>Prunus armeniaca</i> L.) using SSR markers and their implications for breeding. <i>Journal of Food, Agriculture & Environment</i> 6:378-382.	2008
5. Infante, R., Faruh, M. and Meneses, C. (2008) Monitoring the sensorial quality and aroma through an electronic nose in peaches during cold storage. <i>Journal of the Science of Food and Agriculture</i> 88:2073-2078.	2008
6. Infante, R., Meneses, C. and Crisosto, C.H. (2009) Preconditioning treatment maintains taste characteristic perception of ripe 'September Sun' peach following cold storage. <i>International Journal of Food Science and Technology</i> 44:1011-1016.	2009
7. Infante R., Meneses, C. , Rubio, P. and Seibert, E. (2009) Quantitative determination of flesh mealiness in peach [<i>Prunus persica</i> L. (Batch.)] through paper absorption of free juice. <i>Postharvest Biology and Technology</i> 51:11-121.	2009
8. Donoso, J.M., Aros, D., Meneses, C. and Infante, R. (2009) Identification of s-alleles associated with self-incompatibility in apricots (<i>Prunus armeniaca</i> L.) using molecular markers. <i>Journal of Food, Agriculture and Environment</i> 7(3-4):270-273.	2009
9. Infante, R., Rubio, P., Meneses, C. and Contador, L. (2011) Ripe nectarines segregated through sensory quality evaluation and electronic nose assessment. <i>Fruit</i> 66(2):109-119.	2011

10. Contador, L., Rubio, P., Shinya, P., Meneses, C. , Pena-Neira, A. and Infante, R. (2011) Phenolics contents and sensory characterization of melting and non-melting peach. <i>Journal of Horticultural Science Biotechnology</i> 86(3): 255-260.	2011
11. Infante, R., Contador, L., Rubio, P., Mesa, K. and Meneses, C. (2011) Non-destructive monitoring of flesh softening in the black-skinned Japanese plums 'Angelino' and 'Autumn beau' on-tree and postharvest. <i>Postharvest Biology and Technology</i> 61(1):35-40.	2011
12. Meneses, C. and Orellana, C. (2013) Using genomics to improve fruit quality. <i>Biological Research</i> 46:347-352.	2013
13. Balic, I., Ejsmentewicz, T., Sanhueza, D., Silva, C., Peredo, T., Olmedo, P., Barros, M., Verdonk, J., Paredes, R., Meneses, C. , Prieto, H., Orellana, A. and Campos-Vargas, R. (2014) Biochemical and physiological study of the firmness of table grape berries. <i>Postharvest Biology and Technology</i> 93:15-23.	2014
14. Aros, D., Spadafora, N., Venturi, M., Nuñez-Lillo, G., Meneses, C. , Methven, L., Müller, C.T. and Rogers, H. (2015) Floral scent evaluation of segregating lines of <i>Alstroemeria caryophyllaea</i> . <i>Scientia Horticulturae</i> 185:183-192. Doi: 10.1016/j.scienta.2015.01.014	2015
15. Ejsmentewicz, T., Balic, I., Sanhueza, D., Barria, R., Meneses, C. , Orellana, A. and Campos-Vargas, R. (2015) Comparative Study of Two Table Grape Varieties with Contrasting Texture during Cold Storage. <i>Molecules</i> 20(3):3667-3680. Doi: 10.3390/molecules20033667	2015
16. Nuñez-Lillo, G., Cifuentes-Esquivel, A., Troggio, M., Micheletti, D., Infante, R., Campos-Vargas, R., Orellana, A., Blanco-Herrera, F. and Meneses, C. ⁺ (2015) Identification of candidate genes associated with mealiness and maturity date in peach [<i>Prunus persica</i> (L.) Batsch] using QTL analysis and deep sequencing. <i>Tree Genetics & Genomes</i> 11(86):1-13. (⁺ <i>Corresponding author</i>). Doi: 10.1007/s11295-015-0911-9	2015
17. Sanhueza, D., Vizoso, P., Balic, I., Campos-Vargas, R. and Meneses, C. ⁺ (2015) Transcriptomic analysis of fruit stored under cold conditions using controlled atmosphere in <i>Prunus persica</i> cv. 'Red Pearl'. <i>Frontiers in Plant Science</i> 6(788):1-12. (⁺ <i>Corresponding author</i>). Doi: 10.3389/fpls.2015.00788	2015
18. Aedo, J., Maldonado, J., Aballai, V., Estrada, J.M., Bastias-Molina, M., Meneses, C. , Gallardo-Escarate, C., Silva, H., Molina, A. and Valdés, J. (2015) mRNA-seq reveals skeletal muscle atrophy in response to handling stress in a marine teleost, the red cusk-eel (<i>Genypterus chilensis</i>). <i>BMC Genomic</i> 16(1024):1-12. Doi: 10.1186/s12864-015-2232-7	2015
19. Vizoso, P., Pacheco, N., Bastías-Molina, M., Meneses, C. and Poblete-Castro, I. (2015) Draft Genome Sequence of the Phenol-Degrading Bacterium <i>Pseudomonas putida</i> H. <i>Genome announcements</i> 3(4):e00936-15. Doi: 10.1128/genomeA.00936-15	2015
20. Scaglione, D., Fornasiero, A., Cattonaro, F., Pinto, C., Infante, R., Meneses, C. , Messina, R., Lain, O., Cipriani, G. and Testolin, R. (2015) A RAD-based linkage map of kiwifruit (<i>Actinidia chinensis</i> Pl.) as a tool to improve genome assembly and to scan the gender-controlling region. <i>Tree Genetics & Genomes</i> 11(115):1-10. Doi: 10.1007/s11295-015-0941-3	2015
21. Laporte, D., Valdés, N., González, Al., Sáez, C., Zúñiga, A., Navarrete, A., Meneses, C. and Moenne, A. (2016) Copper-induced overexpression of genes encoding antioxidant system enzymes and metallothioneins involve the activation of CaMs, CDPKs and MEK1/2 in the marine alga <i>Ulva compressa</i> . <i>Aquatic toxicology</i> 177: 433-40. Doi: 10.1016/j.aquatox.2016.06.017	2016
22. Fuentes, A., Ortiz, J., Saavedra, N., Salazar, L., Meneses, C. and Arriagada, C. (2016) Reference gene selection for quantitative real-time PCR in <i>Solanum lycopersicum</i> L. inoculated with the mycorrhizal fungus <i>Rhizophagus irregularis</i> . <i>Plant physiology and biochemistry</i> 101:124-131. Doi: 10.1016/j.plaphy.2016.01.022	2016
23. Guerrero-Araya, E., Plaza-Garrido, A., Díaz-Yañez, F., Pizarro-Guajardo, M., Valenzuela, S., Meneses, C. , Gil, F. and Paredes-Sabja, D. (2016) Genome sequence of <i>Clostridium paraputrificum</i> 373-A1 isolated in Chile from a patient infected with <i>Clostridium difficile</i> . <i>Genome Announcements</i> 4(6):e01178-16. Doi: 10.1128/genomeA.01178-16	2016

24. Meneses, C. ⁺ , Ulloa-Zepeda, L., Cifuentes-Esquivel, A., Infante, R., Cantin, C., Batlle, I., Arús, P. and Eduardo, I. (2016) A codominant diagnostic marker for the slow ripening trait in peach. <i>Molecular Breeding</i> 36 (77):1-4. Doi: 10.1007/s11032-016-0506-7 (* <i>Corresponding author</i>)	2016
25. Naour, S.; Espinoza, B.M.; Aedo, J.E.; Zuloaga, R.; Maldonado, J.; Bastias-Molina, M.; Silva, H.; Meneses, C. ; Gallardo-Escarate, C.; Molina, A.; Valdés, J.A. Transcriptomic analysis of the hepatic response to stress in the red cusk-eel (<i>Genypterus chilensis</i>): Insights into lipid metabolism, oxidative stress and liver steatosis (2017) <i>PLoS ONE</i> , 12 (4), art. no. e0176447. DOI: 10.1371/journal.pone.0176447	2017
26. Fuentealba, C., Hernández, I., Olaeta, J.A., Defilippi, B., Meneses C. , Lurie S., Carpentier, S., Pedreschi R., 2017, New insights into the heterogeneous ripening in Hass avocado via LC-MS/MS proteomics, <i>Postharvest Biology and Technology</i> , 132:51-61. https://doi.org/10.1016/j.postharvbio.2017.06.001 . (IF= 2.618)	2017
27. Muñoz-Espinoza, C., Espinosa, E., Bascuñán, R., Tapia, S., Meneses, C. , Almeida, A.M., 2017. Development of a molecular marker for self-compatible S4' haplotype in sweet cherry (<i>Prunus avium</i> L.) using high-resolution melting. <i>Plant Breeding</i> , 136 (6), pp. 987-993. DOI: 10.1111/pbr.12546.	2017
28. Aballai, V., Aedo, J.E., Maldonado, J., Bastias-Molina, M., Silva, H., Meneses, C. , Boltaña, S., Reyes, A., Molina, A., Valdés, J.A., 2017, RNA-seq analysis of the head-kidney transcriptome response to handling-stress in the red cusk-eel (<i>Genypterus chilensis</i>) <i>Comparative Biochemistry and Physiology - Part D: Genomics and Proteomics</i> , 24, pp. 111-117. DOI:10.1016/j.cbd.2017.09.002.	2017
29. Olmedo, P., Moreno, A.A., Sanhueza, D., Balic, I., Silva-Sanzana, C., Zepeda, B., Verdonk, J.C., Arriagada, C., Meneses, C. , Campos-Vargas, R. A catechol oxidase AcPPO from cherimoya (<i>Annona cherimola</i> Mill.) is localized to the Golgi apparatus (2018) <i>Plant Science</i> , 266, pp. 46-54. DOI: 10.1016/j.plantsci.2017.10.012. IF=3.362	2017
30. Balic, I., Vizoso, P., Nilo-Poyanco, R., Sanhueza, D., Olmedo, P., Sepúlveda, P., Arriagada, C., Defilippi, B.G., Meneses, C. , Campos-Vargas, R. Transcriptome analysis during ripening of table grape berry cv. Thompson Seedless (2018) <i>PLoS ONE</i> , 13 (1). DOI: 10.1371/journal.pone.0190087.	2018
31. Mendez, K.N., Zuloaga, R., Valenzuela, C.A., Bastias-Molina, M., Meneses, C. , Vizoso, P., Valdés, J.A., Molina, A. RNA-seq analysis of compensatory growth in the skeletal muscle of fine flounder (<i>Paralichthys adspersus</i>) (2018) <i>Aquaculture</i> , 490, pp. 270-280. DOI:10.1016/j.aquaculture.2018.02.048.	2018
32. Nardocci, G., Carrasco, M.E., Acevedo, E., Hodar, C., Meneses, C. , Montecino, M. Identification of a novel long noncoding RNA that promotes osteoblast differentiation (2018) <i>Journal of Cellular Biochemistry</i> , Article in Press. DOI: 10.1002/jcb.27113. IF=3.446	2018
33. Biondi, E., Zamorano, A., Vega, E., Ardizzi, S., Sitta, D., De Salvador, F.R., Campos-Vargas, R., Meneses, C. , Perez, S., Bertaccini, A., Fiore, N. Draft whole genome sequence analyses on <i>Pseudomonas syringae</i> pv. actinidiae hypersensitive response negative strains detected from kiwifruit bleeding sap samples (2018) <i>Phytopathology</i> , 108 (5), pp. 552-560. IF= 3.011.	2018
34. Cifuentes-Esquivel, N., Celiz-Balboa, J., Henriquez-Valencia, C., Mitina, I., Arraño-Salinas, P., Moreno, A.A., Meneses, C. , Blanco-Herrera, F., Orellana, A. bZIP17 regulates the expression of genes related to seed storage and germination, reducing seed susceptibility to osmotic stress (2018) <i>Journal of Cellular Biochemistry</i> , 119 (8), pp. 6857-6868. DOI: 10.1002/jcb.26882. IF=3.446	2018
35. Gutierrez-Urrutia, I., Miossec, M.J., Valenzuela, S.L., Meneses, C. , dos Santos, V.A.P.M., Castro-Nallar, E., Poblete-Castro, I. Genome sequence of two members of the chloroaromatic-degrading MT community: <i>Pseudomonas reinekei</i> MT1 and <i>Achromobacter xylooxidans</i> MT3(2018) <i>Journal of Biotechnology</i> , 275, pp. 13-16. DOI: 10.1016/j.jbiotec.2018.03.019. IF=2.267	2018

36. Cabezas, C.E., Briones, A.C., Aguirre, C., Pardo-Esté, C., Castro-Severyn, J., Salinas, C.R., Baquedano, M.S., Hidalgo, A.A., Fuentes, J.A., Morales, E.H., Meneses, C. , Castro-Nallar, E., Saavedra, C.P. The transcription factor SlyA from <i>Salmonella Typhimurium</i> regulates genes in response to hydrogen peroxide and sodium hypochlorite (2018) <i>Research in Microbiology</i> , 169 (6), pp. 263-278. DOI: 10.1016/j.resmic.2018.04.003. IF= 2.154	2018
37. Rodríguez, F.E., Laporte, D., González, A., Mendez, K.N., Castro-Nallar, E., Meneses, C. , Huidobro-Toro, J.P., Moenne, A. Copper-induced increased expression of genes involved in photosynthesis, carotenoid synthesis and C assimilation in the marine alga <i>Ulva compressa</i> (2018) <i>BMC Genomics</i> , 19 (1), p. 829. DOI: 10.1186/s12864-018-5226-4.	2018
38. Arraño-Salinas, P., Domínguez-Figueroa, J., Herrera-Vásquez, A., Zavala, D., Medina, J., Vicente-Carbajosa, J., Meneses, C. , Canessa, P., Moreno, A.A., Blanco-Herrera, F. WRKY7, -11 and -17 transcription factors are modulators of the bZIP28 branch of the unfolded protein response during PAMP-triggered immunity in <i>Arabidopsis thaliana</i> (2018) <i>Plant Science</i> , 277, pp. 242-250. DOI: 10.1016/j.plantsci.2018.09.019.	2018
39. Zepeda, B., Olmedo, P., Ejsmentewicz, T., Sepúlveda, P., Balic, I., Balladares, C., Delgado-Rioseco, J., Fuentealba, C., Moreno, A.A., Defilippi, B.G., Meneses, C. , Pedreschi, R., Campos-Vargas, R. Cell wall and metabolite composition of berries of <i>Vitis vinifera</i> (L.) cv. Thompson Seedless with different firmness (2018) <i>Food Chemistry</i> , 268, pp. 492-497. DOI: 10.1016/j.foodchem.2018.06.065.	2018
40. Vergara-Pulgar, C., Rothkegel, K., González-Agüero, M., Pedreschi, R., Campos-Vargas, R., Defilippi, B.G., Meneses, C. ⁺ . De novo assembly of <i>Persea americana</i> cv. 'Hass' transcriptome during fruit development (2019) <i>BMC Genomics</i> , 20 (1), art. no. 108. DOI: 10.1186/s12864-019-5486-7. (⁺ <i>Corresponding author</i>)	2019
41. Gavicho Uarrota, V., Fuentealba, C., Hernández, I., Defilippi-Bruzzone, B., Meneses, C. , Campos-Vargas, R., Lurie, S., Hertog, M., Carpentier, S., Poblete-Echeverría, C., Pedreschi, R. Integration of proteomics and metabolomics data of early and middle season Hass avocados under heat treatment (2019) <i>Food Chemistry</i> , 289, pp. 512-521. DOI: 10.1016/j.foodchem.2019.03.090	2019
42. Ortiz, J., Soto, J., Fuentes, J., Herrera, H., Meneses, C. , Arriagada, C. The endophytic Fungus <i>Chaetomium cupreum</i> regulates expression of genes involved in the tolerance to metals and plant growth promotion in Eucalyptus globulus roots (2019) <i>Microorganisms</i> , 7(11), 490, DOI: 10.3390/microorganisms7110490	2019
43. Parra-Rojas, JP., Largo-Gosens, A., Carrasco, T., Celiz-Balboa, J., Sepulveda-Orellana, P., Temple, H., Sanhueza, D., Reyes, FC., Meneses, C. , Saez-Aguayo, S., Orellana, A. New steps in mucilage biosynthesis revealed by analysis of the transcriptome of the UDP-rhamnose/UDP-galactose transporter 2 mutant (2019) <i>Journal of Experimental Botany</i> , 70(19), pp. 5071-5088. DOI: 10.1093/jxb/erz262	2019
44. Carrasco-Valenzuela, T., Muñoz-Espinoza, C., Riveros, A., Pedreschi, R., Arus, P., Campos-Vargas, R., Meneses, C. ⁺ . Expression QTL (eQTLs) analyses reveal candidate genes associated with fruit flesh softening rate in peach [<i>Prunus persica</i> (L.) Batsch]. <i>Frontiers in Plant Science</i> , 10:1581. DOI: 10.3389/fpls.2019.01581. (⁺ <i>Corresponding author</i>)	2019
45. Núñez-Lillo, G., Balladares, C., Pavez, C., Urrea, C., Sanhueza, D., Vendramin, E., Dettori, M.T., Arús, P., Verde, I., Blanco-Herrera, F., Campos-Vargas, R., Meneses, C. ⁺ . High-density genetic map and QTL analysis of soluble solid content, maturity date, and mealiness in peach using genotyping by sequencing (2019) <i>Scientia Horticulturae</i> , 257, 108734. DOI: 10.1016/j.scienta.2019.108734. (⁺ <i>Corresponding author</i>)	2019
46. Molina-Montenegro, M.A., Ballesteros, G.I., Castro-Nallar, E., Meneses, C. , Gallardo-Cerda, J., Torres-Díaz, C. A first insight into the structure and function of rhizosphere microbiota in Antarctic plants using shotgun metagenomic (2019) <i>Polar Biology</i> , 42(10), pp. 1825-1835. DOI: 10.1007/s00300-019-02556-7.	2019
47. Nilo-Poyanco, R., Vizoso, P., Sanhueza, D., Balic, I., Meneses C., Orellana, A., Campos-Vargas, R. A <i>Prunus persica</i> genome-wide RNA-seq approach uncovers major differences in	2019

the transcriptome among chilling injury sensitive and non-sensitive varieties (2019) <i>Physiologia Plantarum</i> , 166(3), pp. 772-793. DOI: 10.1111/ppl.12831.	
48. Pedreschi, R., Uarrota, V., Fuentealba, C., Alvaro, J.E., Olmedo, P., Defilippi, B., Meneses, C. , Campos-Vargas, R. Primary metabolism in avocado fruit (2019) <i>Frontiers in Plant Science</i> , 10, 795. DOI: 10.3389/fpls.2019.00795.	2019
49. Herrera, H., García-Romera, I., Meneses, C. , Pereira, G., Arriagada, C. Orchid mycorrhizal interactions on the Pacific side of the andes from Chile. A review (2019) <i>Journal of Soil and Plant Nutrition</i> , 19(1), pp. 187-202. DOI: 10.1007/s42729-019-00026-x.	2019
50. Mendez, K.N., Hoare, A., Soto, C., Buguño, I., Olivera, M., Meneses, C. , Pérez-Donoso, J.M., Castro-Nallar, E., Bravo, D. Variability in Genomic and Virulent properties of <i>Porphyromonas gingivalis</i> Strains isolated from healthy and severe chronic periodontitis individuals (2019) <i>Frontiers in cellular and infection microbiology</i> , 9, pp. 246. DOI: 10.3389/fcimb.2019.00246.	2019
51. Pardo-Esté, C., Castro-Severyn, J., Krüger, G., Cabezas, C., Briones, A., Aguirre, C., Morales, N., Baquedano, M., Sulbaran, Y., Hidalgo, A., Meneses, C. , Poblete-Castro, I., Castro-Nallar, E., Valvano, M., Saavedra, C. The transcription factor ARCA modulates <i>Salmonella</i> 's metabolism in response to neutrophil hypochlorous acid-mediated stress (2019) <i>Frontiers in Microbiology</i> , 10:2754. DOI: 10.3389/fmicb.2019.02754.	2019
52. Orellana-Saez, M., Pacheco, N., Costa, J.; Mendez, K., Miossec, M., Meneses, C. , Castro-Nallar, E., Marcoleta, A., Poblete-Castro, I. In-depth genomic and phenotypic characterization of the antarctic psychrotolerant strain <i>Pseudomonas</i> sp. MPC6 reveals unique metabolic features, plasticity, and biotechnological potential (2019) <i>Frontiers in Microbiology</i> , 10:1154. DOI: 10.3389/fmicb.2019.01154.	2019
53. Aedo, J., Zuloaga, R., Bastías-Molina, M., Meneses, C. , Boltaña, S., Molina, A., Valdés JA. Early transcriptomic responses associated with the membrane-initiated action of cortisol in the skeletal muscle of rainbow trout (<i>Oncorhynchus mykiss</i>) (2019) <i>Physiological Genomics</i> , 51, pp 596-606. DOI: 10.1152/physiolgenomics.00042.2019.	2019
54. Barra, M., Meneses, C. , Riquelme, S., Pinto, M., Lague, M., Davidson, C., Tai, H.H. Transcriptome profiles of contrasting potato (<i>Solanum tuberosum</i> L.) genotypes under water stress (2019) <i>Agronomy</i> , 9(12) pp. 848. DOI: 10.3390/agronomy9120848.	2019
55. González, P., Dettleff, P., Valenzuela, C., Estrada, J.M., Valdés, J.A., Meneses, C. , Molina, A. Evaluating the genetic structure of wild and commercial red cusk-eel (<i>Genypterus chilensis</i>) populations through the development of novel microsatellite markers from a reference transcriptome (2019) <i>Molecular Biology Reports</i> , 46(6), pp. 5875-5882. DOI: 10.1007/s11033-019-05021-0.	2019
56. Saona, L.A., Valenzuela-Díaz, S., Kurth, D., Contreras, M., Meneses, C. , Castro-Nallar, E., Farías, M.E. Analysis of co-regulated abundance of genes associated with arsenic and phosphate metabolism in Andean Microbial Ecosystems (2019) <i>bioRxiv</i> , in press. DOI: 10.1101/870428.	2019
57. Dettleff, P., Hormazabal, E., Aedo, J. Fuentes, M., Meneses, C. , Molina, A., Valdés, JA. Identification and Evaluation of Long Noncoding RNAs in Response to Handling Stress in Red Cusk-Eel (<i>Genypterus chilensis</i>) via RNA-seq (2020) <i>Mar Biotechnol</i> DOI:10.1007/s10126-019-09934-6.	2020
58. Franck, N., Zamorano, D., Wallberg, B., Hardy, C., Ahumada, M., Rivera, N., Montoya, M., Urra, C., Meneses, C. , Balic, I., Mejía, N., Ibacache, A., Zurita-Silva, A. Contrasting grapevines grafted into naturalized rootstock suggest scion-driven transcriptomic changes in response to water deficit (2020) <i>Scientia Horticulturae</i> , 262:109031. DOI: 10.1016/j.scienta.2019.109031.	2020
59. Meneses, M., García-Rojas, M., Muñoz-Espinoza, C., Carrasco-Valenzuela, T., Defilippi, B., Gonzalez-Agüero, M., Meneses, C. , Infante, R., Hinrichsen, P. Transcriptomic study of pedicels from GA ₃ -treated table grape genotypes with different susceptibility to berry drop reveals responses elicited in cell wall yield, primary growth and phenylpropanoids synthesis (2020) <i>BMC Plant Biology</i> , 20, 66. DOI: 10.1186/s12870-020-2260-6.	2020

60. Lillo-Carmona, V., Espinoza, A., Rothkegel, K., Rubilar, M., Nilo-Poyanco, R., Pedreschi, R., Campos-Vargas, R., Meneses, C⁺ . Identification of metabolite and lipid profiles in a segregating peach population associated with mealiness in <i>Prunus persica</i> (L.) Batsch (2020) <i>Metabolites</i> , 10, 154. DOI: 10.3390/metabo10040154. (+ <i>Corresponding author</i>).	2020
61. Guerrero-Araya, E., Meneses, C. , Castro-Nallar, E., Guzman, A., Alvarez-Lobos, A., Quesada-Gomez, C., Paredes-Sabja, D., Rodriguez, C. Origin, genomic diversity and microevolution of the <i>Clostridium difficile</i> B1/NAP1/RT027/ST01 strain in Costa Rica, Chile, Honduras and Mexico (2020) <i>Microbial genomics</i> , pp: mgen000355. DOI: 10.1099/mgen.0.000355.	2020
62. Rothkegel, K., Sandoval, P., Soto, E., Ulloa., Riveros. A., Lillo-Carmona, V., Cáceres-Molina, J., Almeida, A.M., Meneses, C⁺ . Dormant but Active: Chilling accumulation modulates the epigenome and transcriptome of <i>Prunus avium</i> during bud dormancy (2020) <i>Frontiers in Plant Science</i> 11, 1115. DOI: 10.3389/fpls.2020.01115. (+ <i>Corresponding author</i>).	2020
63. Muñoz-Espinoza, C., Di Genova, A., Sanchez, A., Correa, J., Espinoza, A., Meneses, C. , Maas, A., Orellana, A., Hinrichsen, P. Identification of SNPs and InDels associated with berry size in table grapes integrating genetic and transcriptomic approaches (2020) <i>BMC Plant Biology</i> 20, 365. DOI: 10.1186/s12870-020-02564-4.	2020
64. Alarcón, J., Márquez, S., Teunisse, G., Mendoza, C., Meneses, C. , Baldini, A., Parra, P., Zamora, P., Boehmwald, F., Castro-Nallar, E. Sequences of endophytic fungal and bacterial communities from <i>Araucaria Araucana</i> [(Molina) K.Koch, 1869] in the Coastal and Andes mountain ranges, Chile (2020) <i>Microbiology Resource Announcements</i> 9, 27. DOI: 10.1128/MRA.00544-20.	2020
65. Cárdenas, M., Galleguillos, C., Acevedo, K., Ananias, C., Alarcón, J., Michelson, S., Toledo, J., Montoya, M., Meneses, C. , Castro-Nallar, E., Vásquez-Martinez, Y., Cortez-San Martin, M. Rapid sequence modification in the highly polymorphic region (HPR) of the hemagglutinin gene of the infectious salmon anaemia virus (ISAV) suggest intra-segmental template switching recombination (2020) <i>Journal of Fish Diseases</i> 43(12) pp. 1483-1496. DOI: 10.1111/jfd.13242.	2020
66. Olmos, C., Campaña, G., Monreal, V., Pidal, P., Sanchez, N., Airola, C., Sanhueza, D., Tapia, P., Muñoz, A.M., Corvalan, F., Hurtado, S., Meneses, C. , Orellana, A., Montecino, M., Arriagada, G., Bustos, F. SARS-CoV-2 infection in asymptomatic healthcare workers at a clinic in Chile (2021) <i>PLoS ONE</i> 16(1):e0245913. DOI: 10.1371/journal.pone.0245913.	2021
67. Saona, L.A., Soria, M., Durán-Toro, V., Wörmer, L., Milucka, J., Castro-Nallar, E., Meneses, C. , Contreras, M., Farías, M.E. Phosphate-Arsenic interactions in Halophilic microorganism of the microbial mat from Laguna Tebenquiche: from the Microenvironment to the Genomes (2021) <i>Microb. Ecol.</i> DOI: 10.1007/s00248-020-01673-9.	2021
68. Salazar, J., Zapata, P., Silva, C., González, M., Pacheco, I., Bastías, M., Meneses, C. , Jorquera, C., Moreno, I., Shinya, P., Infante, R. Transcriptomic analysis and postharvest behavior of the kiwifruit <i>Actinidia deliciosa</i> reveal the role of ethylene-related phytohormones during fruit ripening (2021) <i>Tree Genetics & Genomes</i> 17, 8. DOI: 10.1007/s11295-021-01493-z.	2021
69. Vidal, C., Larama, G., Riveros, A., Meneses, C. , Cornejo, P. Main molecular pathways associated with copper tolerance response in <i>Imperata cylindrica</i> by de novo transcriptome assembly (2021) <i>Plants</i> 10(2), 357. DOI: 10.3390/plants10020357.	2021
70. Hernández, I., Uarrotta, V., Paredes, D., Fuentealba, C., Defilippi, B., Campos-Vargas, R., Meneses, C. , Hertog, M., Pedreschi, R. Can metabolites at harvest be used as physiological markers for modelling the softening behaviour of Chilean “Hass” avocados destined to local and distant markets? (2021) <i>Postharvest Biology and Technology</i> Volume 174, 111457. DOI: 10.1016/j.postharvbio.2020.111457.	2021
71. Rothkegel, K., Espinoza, A., Sanhueza, D., Lillo-Carmona, V., Riveros, A., Campos-Vargas, R., Meneses, C⁺ . Identification of DNA Methylation and Transcriptomic Profiles Associated with fruit mealiness in <i>Prunus persica</i> (L.) Batsch (2021) <i>Frontiers in Plant Science</i> Volume 12, 684130. DOI: 10.3389/fpls.2021.684130 (+ <i>Corresponding author</i>).	2021

72. Zuloaga, R., Dettleff, P., Bastías-Molina, M., Meneses, C. , Altamirano, C., Valdés, J.A., Molina, A. RNA-seq based analysis of ortisol-induced differential gene expression associated with <i>Piscirickettsia salmonis</i> infection in rainbow trout (<i>Oncorhynchus mykiss</i>) myotubes (2021) <i>Animals</i> Volume 11, Issue 8, 2399. DOI: 10.3390/ani11082399.	2021
73. Antiqueo, P., Zuloaga, R., Bastías-Molina, M., Meneses, C. , Estrada, J., Molina, A., Valdés, J.A. De novo assembly and analysis of tissue-specific transcriptomes of the edible red sea urchin <i>Loxechinus albus</i> using RNA-Seq (2021) <i>Biology</i> (10), 995. DOI: 10.3390/biology10100995	2021
74. Núñez-Lillo, G., Ulloa-Zepeda, L., Pavéz, C., Riveros, A., Blanco-Herrera, F., Campos-Vargas, R., Pedreschi, R., Meneses, C. Unravelling the molecular regulation mechanism of slow ripening trait in <i>Prunus persica</i> (2021) <i>Plants</i> 10, 2380. DOI: 10.3390/plants10112380	2021
75. Rojas, B., Suárez-Vega, F., Saez-Aguayo, S., Olmedo, P., Zepeda, B., Delgada-Rioseco, J., Defilippi, B., Pedreschi, R., Meneses, C. , Pérez-Donoso, A., Campos-Vargas, R. Pre-anthesis cytokinin applications increase table grape berry firmness by modulating cell wall polysaccharides (2021) <i>Plants</i> 10, 2642. DOI: 10.3390/plants10122642	2021
76. Fuenzalida-Valdivia, I., Gangas, M.A., Zavala, D., Herrera-Vasquez, A., Roux, F., Meneses, C., Blanco-Herrera, F. Draft Genome Sequence of <i>Pseudomonas syringae</i> RAYR-BL, a Strain isolated from natural Accessions of <i>Arabidopsis thaliana</i> plants (2022) <i>Microbiology Resource Announcements</i> 11, 1. DOI: 10.1128/mra.01001-21	2022
77. Pereira, I., Hidalgo, C., Stoores, C., Baquedano, M., Cabezas, C., Bastías, M., Riveros, A., Meneses, C. , Cancela, M., Ferreira, H., Saenz, L., Paredes, R. Transcriptome analysis of <i>Echinococcus granulosus</i> sensu stricto protoscoleces reveals differences in immune modulation gene expression between cysts found in cattle and sheep (2022) <i>Veterinary research</i> 53, 1-8. DOI: 10.1186/s13567-022-01022-3	2022
78. Hernández, I., Uarrota, V., Fuentealba, C., Paredes, D., Defilippi, B., Campos-Vargas, R., Núñez, G., Carreta, E., Meneses, C. , Hertog, M., Pedreschi, R. Transcriptome and hormone analyses reveals differences in physiological age of “Hass” avocado fruit (2022) <i>Postharvest Biology and Technology</i> 185, 11186. DOI: 10.1016/j.postharvbio.2021.111806	2022
79. Zavala, D., Fuenzalida, I., Gangas, M.A., Peppino, M., Bartoli, C., Roux, F., Meneses, C. , Herrera-Vasquez, A., Blanco-Herrera, F. Molecular and genomic characterization of the <i>Pseudomonas syringae</i> Phylogroup 4: An emerging pathogen of <i>Arabidopsis thaliana</i> and <i>Nicotiana benthamiana</i> (2022) <i>Microorganisms</i> 10, (4), 707. DOI: 10.3390/microorganisms10040707	2022
80. Pacheco, J., Ranocha, P., Kasulin, L., Fusari, C., Servi, L., Aptekmann, A., Garbarain, V., Peralta, J., Borassi, C., Marzol, E., Rodriguez, D., ...; Meneses, C. , Ariel, F., Nadra, A., Petrillo, E., Dunand, C., Estevez, J.M. Apoplatic class III peroxidases PRX62 and PRX69 promote <i>Arabidopsis</i> root hair growth at low temperature (2022) <i>Nature Communications</i> 13(1), 1310. DOI: 10.1038/s41467-022-28833-4	2022

38. Artículos en otras revistas internacionales (no ISI)

38.1 Referencia completa de cada Artículos en otras revistas internacionales (no ISI)	38.2 Año publicación

39. Artículos en otras revistas nacionales (no ISI)

39.1 Referencia completa de cada Artículos en otras revistas nacionales (no ISI)	39.2 Año publicación

40. Artículos en Actas de Congresos

40.1 Referencia completa de cada Artículo en Actas de Congresos	40.2 Año publicación
SOMETIDAS A REFERATO Y PUBLICADAS IN EXTENSO	
Infante, R. y Meneses, C. (2005) Use of genetic linkage maps in the stone fruit breeding. In: Second International Symposium of Fruit Genetic Breeding. November 12-13, 2002, Santiago, Chile. 102p.	2002
Infante, R., Meneses, C. and Byrne, D. (2005) Present situation of peach breeding programs: Post harvest and fruit quality assessment. <i>Acta Horticulturae (ISHS)</i> 713: 121-124.	2005
Ihl, M., Bifani, V., Ramírez, C., Rubilar, M., Motomura, Y., Meneses, C. , Infante, R. and Seguel, I. (2006) Preliminary study on edible film with a natural plant extract to improve quality of fresh fruits for supply chains. <i>Acta Horticulturae (ISHS)</i> 712:617-622.	2006
Infante, R., Kraemer, F., Luchsinger, L., Meneses, C. and Aros, D. (2006) Sensory postharvest quality evolution in apricot (<i>Prunus armeniaca</i> L.) cvs. ‘Palsteyn’ and ‘Grandir’. <i>Acta Horticulturae (ISHS)</i> 717: 21-30.	2006
Rothkegel, K., Cáceres-Miolina, J., Meneses, C. , Almeida, A.M. (2019) Single-base resolution of the methylome in sweet cherry (<i>Prunus avium</i> L.) during dormancy. <i>Acta Horticulturae (ISHS)</i> 1235: 401-406.	2019
Cáceres-Molina, J., Rothkegel, K., Sanchez, E., Carrasco-Valenzuela, T., Meneses, C. , Prieto, H., Almeida, A.M. (2019) A draft genome of <i>Prunus avium</i> ‘Karina’ as a tool for genomic studies. <i>Acta Horticulturae (ISHS)</i> 1235: 85-91.	2019
Pedreschi, R., Hernández, I., Fuentealba, C., Defilippi, G., Campos-Vargas, R., Meneses, C., Hertog, M. (2021) Modeling the softening behaviour of Chilean “Hass” avocado to commercially segregate different batches destined for local and distant markets. <i>Acta Horticulturae</i> 1327:571-576.	2021
CONGRESOS INTERNACIONALES. ABSTRACTS	
Meneses, C. , Jung, S., Arús, P. and Howad, H. In Silico analysis and first applications of SNPs from the GDR database in peach. In: XII Fruit Section Symposium (EUCARPIA, ISHS). September 16-20, 2007. Zaragoza, Spain.	2007
Illa, E., Dirlewanger, E., Le Dantec, L., Cardinet, G., Meneses, C. , Lambert, P., Audergon, J.M., Arús, P. and Howad, W. Bin mapping candidate genes and SNP discovery in <i>Prunus</i> . In: CRAG-LGDP Meeting. May 2-4, 2007. Banyuls, France.	2007
Howad, W., Illa, E., Meneses, C. and Arús, P. Bin mapping candidate genes and SNP discovery in <i>Prunus</i> . In: 4th Rosaceae Genomics Conference. Dec 2-4, 2008, Pucón, Chile.	2008
Meneses, C. , Mir, G., Howad, W. and Arús, P. SNP Discovery and Bin Mapping Using High-Throughput 454 Technology in peach (<i>Prunus persica</i> (L.) Batsch). In: VII International Peach Symposium (ISHS). June 8-11, 2009. Lleida, Spain.	2009
Howad, W., Illa, E., Meneses, C. , Tonda, R., Picañol, R., Blas, A., Eduardo, I., Aranzana, M.J. and Arús, P. Peach Genomics for Breeding. In: First Symposium on Omics-based Fruit Tree Molecular Biology and Biotechnology. October 18-21, 2010. Wuhan, China.	2010
Meneses, C. , Howad, W. and Arús, P. SNP discovery and bin mapping using high-throughput 454 technology in Almond x Peach population. In: CRAG-LGDP Meeting. May 9-10, 2011. Tautavel, France. (* <i>Oral presentation</i>)	2011
Sanhueza, D., Covarrubias, M.P., Meneses, C. , Paredes, R., Dupree, P., Orellana, A., Defilippi, B. and Campos-Vargas, R. Differences of mealiness incidence in early and late season varieties of <i>Prunus persica</i> and cell wall modifications by postharvest treatments. In: Sixth Rosaceae Genomics Conference. October 1-4, 2012. Trento, Italy.	2012
Meneses, C. , Vera, G., Tonda, R., Howad, W. and Arús, P. Saturation of the ‘Texas’ x ‘Earlygold’ <i>Prunus</i> reference map using Genotyping by Sequencing. In: Sixth Rosaceae Genomics Conference. October 1-4, 2012. Trento, Italy.	2012
Sanhueza, D., Balic, I., Nilo, R., Urra, C., Silva, C., Olmedo, P., Meneses, C. , Defilippi B.G, Orellana, A. and Campos-Vargas, R. Study of the effect of controlled atmosphere on pectin	2013

changes of nectarines stored under chilling injury inducing conditions. In: XI International Controlled and Modified Atmosphere Research Conference. June 3-7, 2013. Triani, Italy.	
Balic, I., Sanhueza, D., Meneses, C. , Prieto, H., Defilippi, B.G., Orellana, A. and Campos-Vargas, R. Molecular and physiological study of crunchiness of table grape berry. In: Ninth International Symposium on Grapevine Physiology & Biotechnology. April 24-26, 2013. La Serena, Chile.	2013
Sanhueza, D., Balic, I., Vizoso, P., Silva, C., Olmedo, P., Meneses, C. , Defilippi, B., Orellana, A. and Campos-Vargas, R. Transcriptional profiling of a late and early peach varieties under different postharvest conditions and their relationship with mealiness development. In: VIII International Peach Symposium, June 17-20, 2013. Matera, Italy.	2013
Sanhueza, D., Balic, I., Nilo, R., Urra, C., Silva, C., Olmedo, P., Meneses, C. , Defilippi, B.G., Orellana, A., Campos-Vargas, R. Study of cell wall changes associated to chilling injury (CI) disorder on peaches. IX Congreso de Biotecnología Vegetal. Centro de Bioplantitas, 7-10 de mayo 2013. Ciego de Ávila, Cuba.	2013
Núñez, G., Cifuentes, A., Campos-Vargas, R., Troggio, M., Infante, R., Orellana, A. and Meneses, C. (2014) QTL Analysis for fruit quality traits in peach [<i>Prunus persica</i> (L.) Batsch]. Plant and Animal Genome. January 11-14, 2014. San Diego, USA.	2014
Carrasco-Valenzuela, T., Cifuentes-Esquivel, A., Ulloa-Zepeda, L., Campos-Vargas, R., Orellana, A. and Meneses, C. Identification of genes associated with the softening rate in <i>Prunus persica</i> (L.) Batsch using QTLs and expression QTL (eQTL). In: 7 th Rosaceae Genomics Conference. June 24-26, 2014. Seattle, USA. (+ <i>Oral presentation</i>)	2014
Cifuentes-Esquivel, A., Carrasco-Valenzuela, T., Ulloa-Zepeda, L., Cifuentes-Esquivel, N., Nuñez-Lillo, G., Infante, R., Orellana, A., Campos-Vargas, R. and Meneses, C. Identification of candidate genes for fruit softening in <i>Prunus persica</i> using an expression QTL analysis. Plant Genomes & Biotechnology: From Genes to Networks, December 2-5, 2015. Cold Spring Harbor, NY, USA.	2015
Balic, I., Meneses, C. , Prieto, H., Defilippi, B. and Campos-Vargas, R. Comparative analysis of transcriptome during ripening of two table grape varieties contrasting in berry texture. III Southeast Asia Symposium on Quality Management in Postharvest Systems, August 13-15, 2015. Siem Reap, Cambodia.	2015
Nardocci, G., Carrasco-Jeldres, M., Acevedo, E., Meneses, C. and Montecino, M. Identification of lncRNAs during osteogenesis. Chromatin Structure & Function. Gordon Research Conference, May 22-27, 2016. Les Diablerets, Switzerland.	2016
Campos-Vargas, R., Balic, I., Vizoso, P. and Meneses, C. Transcriptome analysis during ripening of table grape berry cv. Thompson Seedless. VIII International Postharvest Symposium Cartagena, June 21-24, 2016. Murcia, Spain.	2016
Balic, I., Peredo, T., Olmedo, P., Delgado, J., Meneses, C. , Miyasaka, A., Pedreschi, R., Defilippi, B., Prieto, H., Campos-Vargas, R. Effect of calcium in texture of table grape berries cv Thompson Seedless grown at <i>in vitro</i> system. X International Symposium on Grapevine Physiology and Biotechnology (10GPB), June 13-18, 2016. Verona, Italy.	2016
Balic, I., Vizoso, P., Olmedo, P., Sepulveda, P., Meneses, C. , Defilippi, B. and Campos-Vargas, R. Transcriptome analysis of two contrasting table grape varieties in berry texture during ripening. X International Symposium on Grapevine Physiology and Biotechnology (10GPB), June-13-18, 2016. Verona, Italy.	2016
Aedo, J., Zuloaga, R., Valenzuela, C., Vizoso, P., Mendez, K., Meneses, C. , Bastías-Molina, M., Eir Einarsdottir, I., Thrandur Björnsson, B., Valdés, J.A. and Molina, A. Transcriptional response to confinement stress in skeletal muscle of fine flounder (<i>Paralichthys adpersus</i>) determined by RNA-seq. In: 8 ^o International Symposium on Fish Endocrinology, June 28 to July 02, 2016. Gothenburg, Sweden.	2016
Meneses, C. Carrasco-Valenzuela, T., Cifuentes-Esquivel, A., Vergara, C., Nuñez-Lillo, G., Infante, R., Orellana, A. and Campos-Vargas, R. Identification of candidate genes associated with fruit softening rate in nectarine (<i>Prunus persica</i>) using QTLs and expression QTL. The 8th International Rosaceae Genomics Conference, June 21-24, 2016. Angers, France. (+ <i>Oral presentation</i>).	2016

Meneses, C. , Sanhueza, D., Vizoso, P., Olmedo, P., Balic, I., Defilippi, B., Orellana, A. and Campos-Vargas, R. Transcriptomic analysis and comparison of early and late harvest peaches and nectarines during ripening. The 8th International Rosaceae Genomics Conference, June 21-24, 2016. Angers, France.	2016
Salazar, J., Jorquera, C., Zapata, P., Shinya, P., Cooper, T., Bastías-Molina, M., Vergara, C., Meneses, C. and Infante, R. Transcriptomic approach of postharvest behavior of kiwifruit <i>Actinidia deliciosa</i> after 1-MCP and Ethrel applications. IX International Symposium on Kiwifruit (ISHS). September 6-9, 2017. Porto, Portugal.	2017
Rothkegel, K., Cáceres, J., Meneses, C. and Miyasaka-Almeida, A. Single-base resolution methylome of a high chill and a low chill cultivar of sweet cherry (<i>Prunus avium</i>) during dormancy. VIII International Cherry Symposium (ISHS). June 5-9, 2017. Yamagata, Japan.	2017
Cáceres, J., Rothkegel, E., Carrasco, T., Meneses, C. , Prieto, H. and Miyasaka-Almeida, A. Into the construction of a draft genome for the <i>Prunus avium</i> 'Karina' cultivar. VIII International Cherry Symposium (ISHS). June 5-9, 2017. Yamagata, Japan.	2017
Vergara-Pulgar, C., Salazar, J., Jorquera, C., Zapata, P., Bastías-Molina, M., Cooper, T., Infante, R. and Meneses, C. IX International Symposium on Kiwifruit (ISHS). September 6-9, 2017. Porto, Portugal.	2017
Pinto, C., Testolin, R., Cipriani, G., Mesa, K., Meneses, C. and Infante, R. Exploratory QTL analysis for fruit-related traits in kiwifruit (<i>Actinidia chinensis</i> Pl.). IX International Symposium on Kiwifruit (ISHS). September 6-9, 2017. Porto, Portugal.	2017
Delgado-Rioseco, J., Peredo, T., Cabello-Vasquez, F., Olmedo, P., Ejsmentewicz, T., Balic, I., Meneses, C. , Pedreschi, R., Defilippi, B., Campos-Vargas, R ⁺ . Effect of calcium and magnesium in texture of table grape berries cv Thomposon seedless grown at <i>in vitro</i> system. VI Postharvest Unlimited, October 17-20, 2017. Madrid, Spain. (⁺ Oral presentation).	2017
Rothkegel, K., Cáceres, J., Carrasco-Valenzuela, Tomás., Meneses, C. , Miyasaka-Almeida. Single-base resolution methylome of floral bud in sweet cherry (<i>Prunus avium</i> L.) varieties during cold accumulation in the dormancy period. Plant and Animal Genome XXVI Conference, January 13-17, 2018. San Diego, CA, USA.	2018
Cáceres-Molina, J., Rothkegel, K., Carrasco-Valenzuela, T., Urra, C., Meneses, C. , Prieto, H., Miyasaka-Almeida, A. Comparative genomics for three sweet cherry varieties. Plant and Animal Genome XXVI Conference, January 13-17, 2018. San Diego, CA, USA.	2018
Olmedo, P., Zepeda, B., Sepulveda, P., Ejsmentewicz, T., Delgado-Rioseco, J., Meneses, C. , Defilippi, B. G., Pedreschi, R., Campos-Vargas, R. Biochemical and metabolomic characterization of cell wall from berries of <i>Vitis vinifera</i> cv Thompson seedless with different firmness. XXX International horticultural congress, August 12-16, 2018. Istanbul, Turkey.	2018
Ejsmentewicz, T., Jaque C., Zepeda, B., Delgado-Rioseco, J., Balladares, C., Olpedo, P., Sepulveda, P., Infante, R., Pedreschi, R., Blanco, F., Meneses, C. , Campos-Vargas, R. Metabolomic analysis of contrasting peaches (<i>Prunus persica</i> L. Batsch) in soluble solids content and susceptibility to chilling injury during postharvest in a segregation population OxN. XXX International horticultural congress, August 12-16, 2018. Istanbul, Turkey.	2018
Rothkegel, R., Sandoval P., Soto, E., Cáceres-Molina, J., Miyasaka-Almeida, A., Meneses C. Whole bisulfite genome sequencing of contrasting sweet cherry (<i>Prunus avium</i> L.) varieties during cold accumulation in the dormancy period. Plant and Animal Genome XXVII Conference, January 12-16, 2019. San Diego, CA, USA.	2019
Lillo, V., Espinoza, A., Pedreschi, R., Campos-Vargas, R., Meneses, C. Identification of metabolite and lipid profile associated with mealiness in peach. Plant and Animal Genome XXVII Conference, January 12-16, 2019. San Diego, CA, USA.	2019
Nuñez, G., Ulloa, L., Barahona, A., Campos-Vargas, R., Blanco, F., Meneses, C. Unraveling regulatory mechanisms of the slow-ripening phenotype in peach. Plant and Animal Genome XXVII Conference, January 12-16, 2019. San Diego, CA, USA.	2019
Urra, C., Pavez, C., Mínio, A., Miossec, M., Arenas-Morales, V., Nuñez, G., Balladares, C., Castro, A., Cantu, D., Meneses C. Evaluation of genetic diversity in grapevine clones of Cabernet Sauvignon Blanc cultivars by Whole Genome Resequencing. Plant and Animal Genome XXVII Conference, January 12-16, 2019. San Diego, CA, USA.	2019

Zavala, D., Fuenzalida, I., Herrera-Vasquez, A., Gangas, M.V., Meneses, C. , Roux, F., Blanco-Herrera, F. Functional and genomic characterization of a <i>Pseudomonas syringae</i> strain isolated from natural populations of <i>Arabidopsis</i> plants. XVIII Congress IS- Molecular Plant-Microbe Interactions. July 14-18, 2019. Glasgow, Scotland.	2019
Zavala, D., Fuenzalida, I., Herrera-Vasquez, A., Gangas, M.V., Meneses, C. , Roux, F., Blanco-Herrera, F. Molecular and genomic characterization of Psy RAYR-BL; a novel <i>Pseudomonas syringae</i> highly aggressive in natural accessions of <i>Arabidopsis thaliana</i> and <i>Nicotiana benthamiana</i> . XXIII Meeting of the Spanish Society of Plant Physiology/XVI Spanish Portuguese Congress of Plant Physiology. June 26-28, 2019. Pamplona, Spain.	2019
Espinoza, A., Rothkegel, K., Sanhueza, D., Pedreschi, R., Campos-Vargas, R., Meneses, C. Identification of differentially methylated regions in the <i>Prunus persica</i> genome associated with mealy flesh fruit due to long-term cold storage. Plant and Animal Genome XXVIII Conference, January 11-15, 2020. San Diego, CA, USA.	2020
Urra, C., Pavez-Reyes, C., Minio, A., Miossec, M., Balladares, C., Sanhueza, D., Castro, A., Cantu, D., Meneses, C. Elucidating the clonal diversity of <i>Vitis vinifera</i> cv. Cabernet Sauvignon. Plant and Animal Genome XXVIII Conference, January 11-15, 2020. San Diego, CA, USA. (+ <i>Oral presentation</i>)	2020
CONGRESOS NACIONALES. RESÚMENES	
Salamanca, P., Meneses, C. e Infante, R. Mejoramiento Genético de Duraznero y Nectarín para la Obtención de Variedades Orientadas a Satisfacer las Necesidades Agronómicas y Comerciales de Chile. En: Seminario Investigación y Desarrollo en biotecnología Silvoagropecuaria: Situación Actual Chilena. Santiago, 18 y 19 de julio de 2002. Organización conjunta, Ministerio de Agricultura y CEPAL.	2002
Meneses, C. e Infante, R. Extracción de ADN desde distintos tejidos de cerezo (<i>Prunus avium</i> L.), y de portainjertos de <i>Prunus</i> , y determinación del potencial informativo de microsatélites (SSR). En: 53° Congreso Agronómico de Chile, diciembre 3-6 de 2002, Facultad de Cs. Agronómicas, Universidad de Chile, Santiago, Chile. (+ <i>Oral presentation</i>)	2002
Donoso, J.M., Aros, D., Meneses, C. , Infante, R. y Narváez, C. Identificación de alelos-s asociados a la autoincompatibilidad en damascos (<i>Prunus armeniaca</i> L.) por medio de marcadores moleculares. En: 57° Congreso Agronómico de Chile, 17-20 de octubre de 2006, Universidad Santo Tomás, Santiago, Chile.	2006
Sanhueza, D., Covarrubias, M.P., Meneses, C. , Paredes, R., Defilippi, B., Orellana, A. and Campos-Vargas, R. Differences on mealiness incidence in early and late season varieties of <i>Prunus persica</i> and cell wall modifications induced by postharvest treatments. VII Plant Biology Meeting, December 3-6, 2012. Pucón, Chile.	2012
Cifuentes-Esquivel, A., Meneses, C. and Infante, R. Marker assisted selection for sex determination in a kiwifruit breeding program. VII Plant Biology Meeting, December 3-6, 2012. Pucón, Chile.	2012
Núñez, G., Arraño, P., Campos-Vargas, R., Lemus, G., Infante, R., Orellana, O. and Meneses, C. Phenotyping and genotyping characterization of a segregating population peach fruit quality traits. VII Plant Biology Meeting, December 3-6, 2012. Pucón, Chile.	2012
Balic, I., Sanhueza, D., Meneses, C. , Prieto, H., Defilippi, B.G., Orellana, A. and Campos-Vargas, R. Molecular and physiological study of crunchiness of table grape berry. Ninth International Symposium on Grapevine Physiology & Biotechnology, April 21-26, 2013. La Serena, Chile.	2013
Sanhueza, D., Meneses, C. , Balic, I., Vizoso, P., Silva, C., Orellana, A. and Campos-Vargas, R. (2013) Study of ripening and chilling injury in early and late varieties of peaches and nectarines (<i>Prunus persica</i>) using RNA-seq. VIII Plant Biology Meeting, December 2-5, 2013. Pucón, Chile.	2013
Elizondo, D., Blanco, F., Meneses, C. and Orellana, A. Extraction and analysis of RNA of <i>Cistanthe longiscapa</i> for High Throughput Sequencing to identify genes involved in the process of seed germination. VIII Plant Biology Meeting, December 2-5, 2013. Pucón, Chile.	2013

Núñez, G., Elizondo, D., Aros, D. and Meneses, C. Genomic organization of Myrcene Synthase in Scented lines of <i>Alstroemeria</i> . VIII Plant Biology Meeting, December 2-5, 2013. Pucón, Chile.	2013
Núñez, G., Meneses, C. y Aros, D. Organización Genómica De Mirceno Sintetasa En Líneas Aromáticas De <i>Alstroemeria</i> . III Congreso Flora Nativa. Septiembre 2013, Santiago, Chile.	2013
Núñez, G., Cifuentes, A., Campos-Vargas, R., Lemus, G., Infante, R., Orellana, A. and Meneses, C. QTL Analysis for fruit quality traits in peach [<i>Prunus persica</i> (L.) Batsch]. VIII Plant Biology Meeting, December 2-5, 2013. Pucón, Chile.	2013
Arenas-Morales, V., Núñez-Lillo, G., Montolla, M. A., León, P., Zurita-Silva, A. and Meneses, C. Genetic variation and population structure in quínoa (<i>Chenopodium quinoa</i> Willd.) using microsatellite markers. IX Reunión de Biología Vegetal. IX Plant Biology Meeting, December 1-4, 2014. La Serena, Chile.	2014
Carrasco-Valenzuela, T., Núñez-Lillo, G., Cifuentes-Esquivel, A., Vizoso, P., Campos-Vargas, R., Orellana, A. and Meneses, C. Structural Genomic Comparison of Whole Genomes in <i>Prunus persica</i> : ‘Venus’ commercial variety against reference genome. IX Plant Biology Meeting, December 1-4, 2014. La Serena, Chile.	2014
Meneses, C. + Identificación de regiones del genoma asociadas a caracteres de calidad del fruto en duraznero usando análisis de QTLs Encuentro de Genética Cuantitativa y de Poblaciones. Acortando la Brecha Genotipo-Fenotipo. Universidad de Santiago, viernes 4 de abril de 2014. Santiago Chile. (+Presentación oral).	2014
Elizondo, D., Vizoso, P., Bravo, S., Blanco, F., Meneses, C. and Orellana, O. Physiological and transcriptomic characterization of <i>Cistathe longiscapa</i> during seed germination. IX Plant Biology Meeting, December 1-4, 2014. La Serena, Chile.	2014
Ulloa-Zepeda, L., Vergara-Pulgar, C., Rubilar, M., Núñez-Lillo, G., Cifuentes-Esquivel, A., Meneses, C. Marker Assisted Selection for Maturity Date in <i>Prunus persica</i> . IX Reunión de Biología Vegetal. December 1-4, 2014. La Serena, Chile.	2014
Vizoso, P., Meneses, C. , Orellana, A. Whole Genome Sequencing and SNP Genotyping of Contrasting Siblings Associated to Mealy fruit in segregating population of <i>Prunus</i> . IX Plant Biology Meeting, December 1-4, 2014. La Serena, Chile.	2014
Nardocci, G., Acevedo, E., Núñez, G., Meneses, C. , Montecino, M. Identification of new lncRNAs during osteoblast differentiation. XXXVII Annual Meeting Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular de Chile, 2014. Puerto Varas, Chile.	2014
Nardocci, G., Carrasco, A., Torres, M., Acevedo, G., Meneses, C. and Montecino, M. (2015) Differential expression of lncRNAs during osteogenesis. XXXVIII Annual Meeting Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular de Chile. Puerto Varas, Chile.	2015
Arenas-Morales, V., Núñez-Lillo, G., Montolla, M. A., León, P., Zurita-Silva, A., Meneses, C. Genetic variation and population structure in quínoa (<i>Chenopodium quinoa</i> Willd.) using microsatellite markers. X Plant Biology Meeting, December 1-4, 2015. Valdivia, Chile.	2015
Jiménez, G., Moraga, F., Galilea, B., Mitina, I., Henríquez-Valencia, C., Meneses, C. , Blanco, F. The master coactivator NPR1 is involved in the salt tolerance response by its interaction with bZIP17 and the transcriptional regulation of salinity stress response genes in <i>Arabidopsis thaliana</i> . X Plant Biology Meeting, December 1-4, 2015. Valdivia, Chile.	2015
Núñez-Lillo, G., Cifuentes-Esquivel, A., Ulloa, L2., Rubilar, M., Infante, R., Orellana, A., Blanco, MF2., Campos-Vargas, R2., Meneses, C. + Identification of candidate genes involved with fruit quality in peach [<i>Prunus persica</i> (L.) Batsch] using QTL analysis and deep sequencing. X Plant Biology Meeting, December 1-4, 2015. Valdivia, Chile (* <i>Oral presentation</i>).	2015
Carrasco-Valenzuela, T., Cifuentes-Esquivel, A., Ulloa-Zepeda, L., Campos-Vargas, R., Orellana, A., Meneses, C. Identification of genes associated with the softening rate in <i>Prunus persica</i> (L.) Batsch using QTLs and expression QTL (eQTL). X Plant Biology Meeting, December 1-4 2015, Valdivia, Chile.	2015
Antiqueo, P., Bastias, M., Meneses, C. , Molina, A. and Valdes, J. De novo assembly and characterization of the Chilean red sea urchin (<i>Loxechinus albus</i>) transcriptome using next generation sequencing. In: Sociedad Chile de Biología Celular XXVI reunión annual, 27-30 septiembre de 2016. Puerto Varas, Chile.	2016

Nardocci, G., Carrasco-Jeldres, M., Acevedo, E., Meneses, C. , Montecino, M. (2016). Identification of new lncRNAs during osteogenesis. XXXIX Annual Meeting Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular de Chile. Puerto Varas, Chile.	2016
Arraño-Salinas, P., Moreno, A., Meneses, C. and Blanco-Herrera, F. WRKY7, -11 AND -17 transcription factors, are repressors of unfolded protein response genes during pamp-triggered immunity against bacterial pathogens in <i>Arabidopsis thaliana</i> . XI Plant Biology Meeting, November 28 to December 01, 2016. Chillán, Chile.	2016
Meneses, C. , Nuñez-Lillo, G., Arenas, V., Jaque, C., Balladares, C., Peredo, T., Infante, R., Campos, R. Whole genome sequencing and RNA-Seq analyses for fruit postharvest disorders in a segregating population of peach [<i>Prunus persica</i> (L.) Batsch]. XI Plant Biology Meeting, November 28 to December 01, 2016. Chillán, Chile.	2016
Rubilar, M., Nuñez, G., Arenas, V., Infante, R., Meneses, C. Analysis of genetic diversity, structural population and identification of SNP associated with fruit trait in peach. XI Plant Biology Meeting, November 28 to December 01, 2016. Chillán, Chile.	2016
Urta, C., Pavez, C., Nuñez-Lillo, G., Zamora, P., Castro, A., Cantú, D., Orellana, A., Meneses, C. Clonal identification of <i>Vitis vinifera</i> cv Pinot noir using whole genome sequencing. XI Plant Biology Meeting, November 28 to December 01, 2016. Chillán, Chile.	2016
Arenas-Morales, V., Nuñez-Lillo, G., Montoya, A., Sandoval, A., León, P., Zurita-Silva, A., Meneses, C. Assessment of genetic diversity and population structure in quinoa (<i>Chenopodium quinoa</i> Willd.) germplasm collection using simple sequence repeat markers (SSR). XI Plant Biology Meeting, November 28 to December 01, 2016. Chillán, Chile.	2016
Vergara-Pulgar, C., Campos-Vargas, R., González-Agüero, M., Meneses, C. , Defilippi, B. G. Transcriptomic analysis by RNA-Seq during fruit development in avocado (<i>Persea americana</i> Mill.) cv. Hass, XI Plant Biology Meeting, November 28 to December 01, 2016. Chillán, Chile.	2016
Carrasco-Valenzuela, T., Cifuentes-Esquivel, A., Campos-Vargas, R. and Meneses, C. Expression QTL analyses reveal candidate genes associated with fruit softening rate in peach. XI Plant Biology Meeting, November 28 to December 01, 2016. Chillán, Chile.	2016
Ulloa-Zepeda, L., Cifuentes-Esquivel, A., Rubilar, M., Blanco, F. and Meneses, C. A codominant diagnostic marker for the slow ripening trait in peach. XI Plant Biology Meeting, November 28 to December 01, 2016. Chillán, Chile.	2016
Riveros A., Carrasco T., Nilo, R., Moreno, A., Orellana, D., Meneses, C. , Ossa, P. De novo transcriptome assembly of <i>Cisthanthe longiscapa</i> to explore gene expression under arid conditions in the Atacama desert. XII Plant Biology Meeting, December 1-4, 2017. Villarrica, Chile.	2017
Nuñez-Lillo, G., Jaque, C., Pavez, C., Verde, I., Blanco-Herrera, F., Campos-Vargas, R., Meneses, C. Whole genome sequencing and RNA-Seq of contrasting siblings for maturity date in peach to understand the genetic control for this trait. XII Plant Biology Meeting, December 1-4, 2017. Villarrica, Chile.	2017
Nuñez-Lillo, G., Jaque, C., Pavez, C., Verde, I., Blanco-Herrera, F., Campos-Vargas, R., Meneses, C. Identification of candidate genes associated with soluble solids content using whole genome sequencing and RNA-Seq analysis in <i>Prunus persica</i> . XII Plant Biology Meeting, December 1-4, 2017. Villarrica, Chile.	2017
Silva, C., Salazar, J., Zapata, P., Jorquera, C., Bastías, M., Shinya, P., Cooper, T., Pacheco, I., Meneses, C. , Infante, R. RNA-Seq analysis of postharvest behaviour in kiwifruit <i>Actinidia deliciosa</i> after 1-MCP and ethrel applications. XII Plant Biology Meeting, December 1-4, 2017. Villarrica, Chile.	2017
Urta C., Pavez-Reyes, C., Arenas-Morales, V., Nuñez-Lillo, G., Caceres-Molina, J., Zamora, P., Castro, A., Cantú, D., Orellana, A., Meneses, C. Clonal identification of <i>Vitis vinifera</i> cv Cabernet Sauvignon using whole genome sequencing. XII Plant Biology Meeting, December 1-4, 2017. Villarrica, Chile.	2017
Zepeda, B., Ejsmentewicz, T., Sepulveda, P., Olmedo, P., Fuentealba, C., Delgado-Rioseco, J., Balic, I., Moreno, A., Defilippi, B. G., Meneses, C. , Pedreschi, R., Campos-Vargas, R. Cell wall and metabolite composition of berries of <i>Vitis vinifera</i> (L.) cv thompson seedless with different firmness. XII Plant Biology Meeting, December 1-4, 2017. Villarrica, Chile.	2017

Ejsmentewicz, T., Jaque, C., Zepeda, B., Delgado-Rioseco, J., Balladares, C., Olmedo, P., Sepulveda, P., Infante, R., Pedreschi, R., Blanco-Herrera, F., Meneses, C. , Campos-Vargas, R. Metabolomic profiles associated to soluble solid content and mealiness susceptibility in peach (<i>Prunus persica</i> L. Batsch) during postharvest. XII Plant Biology Meeting, December 1-4, 2017. Villarrica, Chile	2017
Arraño-Salinas, P., Moreno, A., Herrera-Vasquez, A., Dominguez, J., Gonzalez, M., Meneses, C. , Medina, J., Vicente-Carbajosa, J., Blanco-Herrera, F. WRKY7, -11 and -17 transcription factors, are repressors of unfolded protein response genes through bZIP28 transcription factor, during PAMP-triggered immunity in <i>Arabidopsis thaliana</i> . XII Plant Biology Meeting, December 1-4, 2017. Villarrica, Chile.	2017
Cáceres-Molina, J., Rothkegel, K., Carrasco-Valenzuela T., Urra, C., Prieto, H., Meneses, C. , Miyasaka-Almeida, A. Comparative genomics for three sweet cherry varieties. XII Plant Biology Meeting, December 1-4, 2017. Villarrica, Chile.	2017
Meneses, M., Garcia-Rojas, M., Carrasco, T., Muñoz-Espinoza, C., Defilippi, B, Gonzalez-Agüero, M., Meneses, C. , Hinrichsen, P. Phenotypic and gene expression changes on pedicel in response to exogenous gibberellic acid treatment on table grape. XII Plant Biology Meeting, December 1-4, 2017. Villarrica, Chile.	2017
Carrasco-Valenzuela, T., Cifuentes-Esquivel, A., Campos-Vargas, R., Meneses, C. Identification of genes associated with softening rate in <i>Prunus persica</i> using QTL and expression QTL. XII Plant Biology Meeting, December 1-4, 2017. Villarrica, Chile.	2017
Rothkegel, K ⁺ , Cáceres, J., Meneses, C. , Almeida, A. Single base resolution of the methylome in the high chill requirement variety of sweet cherry (<i>Prunus avium</i> L.) 'Kordia' during dormancy. XII Plant Biology Meeting, December 1-4, 2017. Villarrica, Chile. (+ <i>Oral presentation</i>)	2017
Sepúlveda, P., Olmedo, P., Zepeda, B., Ejsmentewicz, T., Delgado-Rioseco, J., Jaque, C., Balic, I., Meneses, C. , Pedreschi, R., Defilippi, B., Campos-Vargas, R. Estudio metabolómico de biomarcadores asociados a firmeza en uva de mesa (<i>Vitis vinifera</i> L.) cv Thompson seedles. XI Congreso Iberoamericano de tecnología postcosecha y agroexportaciones. November 29 - December 1, 2017. Santiago, Chile.	2017
Delgado-Rioseco, J., Olmedo, P., Ejsmentewicz, T., Sepulveda, p., Zepeda, B., Rojas-San Martin, B., Balladares, C., Jaque, C., Cabello-Vasquez, F., Balic, I., Meneses, C. , Pedreschi, R., Defilippi, B., Campos-Vargas, R. Relación de la firmeza de frutos con cambios en la pared celular y contenido de calcio en bayas de uva de mesa y arándano. LXIX Congreso Agronómico de Chile. November 14-16, 2018. Punta Arenas, Chile.	2018
Contreras, C ⁺ , Balladares, C., Meneses, C. , Zoffoli, JP., Defilippi, B. Pepino (<i>Solanum muricatum</i>): a model to understand aroma biology during fruit development. XIII Plant Biology Meeting, December 3-6, 2018. Puerto Varas, Chile. (+ <i>Oral presentation</i>)	2018
Urra, C ⁺ , Pavez-Reyes, C., Arenas-Morales, V., Nuñez-Lillo, G., Balladares, C., Castro, A., Cantú, D., Meneses, C. Analysis of genetic diversity of <i>Vitis vinifera</i> 'Cabernet Sauvignon' and 'Sauvignon Blanc' clones. XIII Plant Biology Meeting, December 3-6, 2018. Puerto Varas, Chile. (+ <i>Oral presentation</i>)	2018
Ossa, P., Orellana, D., Carrasco, T., Riveros, A., Moreno, A., Nilo-Poyanco, R., Meneses, C. , Orellana, A. Day/night transcriptomic analysis of <i>Cistanthe longiscapa</i> reveals changes in key genes related to CAM photosynthesis and response to abiotic stress. XIII Plant Biology Meeting, December 3-6, 2018. Puerto Varas, Chile.	2018
Rothkegel, K., Sandoval, P., Soto, E., Cáceres, J., Miyasaka-Almeida, A., Meneses, C. Whole bisulfite genome sequencing of contrasting sweet cherry (<i>Prunus avium</i> L.) varieties during cold accumulation in the dormancy period. XIII Plant Biology Meeting, December 3-6, 2018. Puerto Varas, Chile.	2018
Urra, C., Pavez-Reyes, C., Arenas-Morales, V., Nuñez-Lillo, G., Balladares, C., Castro, A., Cantú, D., Meneses, C. Analysis of genetic diversity of <i>Vitis vinifera</i> 'Cabernet Sauvignon' and 'Sauvignon Blanc' clones. XIII Plant Biology Meeting, December 3-6, 2018. Puerto Varas, Chile.	2018
Ortiz, J., Almonacid, L., Fuentes, A., Soto, J., Cerda, Y., Meneses, C. , Campos-Vargas, R., Arriagada, C. <i>Chaetomium cupreum</i> regulate expression of genes involved in tolerance to	2018

heavy metals and plant growth promotion in <i>Eucalypts globulus</i> . XIII Plant Biology Meeting, December 3-6, 2018. Puerto Varas, Chile.	
Vasquez, D., Carrasco, T., Meneses, C. , Cuba-Diaz, M. Transcriptome validation of <i>Colobanthus quitensis</i> (Kunth) Bartl. Against different abiotic conditions. XIII Plant Biology Meeting, December 3-6, 2018. Puerto Varas, Chile.	2018
Ejsmentewicz, T., Salazar, A., Zepeda, B., Delgado-Rioseco, J., Jaque, C., Balladares, C., Rojas, B., Olmedo, P., Pedreschi, R., Infante, R., Blanco-Herrera, F., Meneses, C. , Campos-Vargas, R. Metabolomic study of nitrogen compounds associated with physiological disorders in peaches (<i>Prunus persica</i> L. Batch) caused by cold storage in a segregating population OxN and four peach varieties. XIII Plant Biology Meeting, December 3-6, 2018. Puerto Varas, Chile.	2018
Olmedo, P., Sepulveda, P., Ejsmentewicz, T., Delgado-Rioseco, J., Zepeda, B., Meneses, C. , Defilippi, B., Pedreschi, R., Campos-Vargas, R. Metabolomic characterization of berries of <i>Vitis vinifera</i> (L.) cv Thompson seedless with different fruit firmness during development. XIII Plant Biology Meeting, December 3-6, 2018. Puerto Varas, Chile.	2018
Delgado-Rioseco, J., Zepeda, B., Ejsmentewicz, T., Balladares, C., Salazar, A., Olmedo, P., Pedreschi, R., Infante, R., Blanco-Herrera, F., Meneses, C. , Campos-Vargas, R. Metabolomic analysis of peaches (<i>Prunus persica</i> L. Batch) with contrasting phenotype of soluble solids content and maturity date. XIII Plant Biology Meeting, December 3-6, 2018. Puerto Varas, Chile.	2018
Arraño-Salinas, P., Herrera-Vasquez, A., Dominguez-Figueroa, J., Zavala, D., Medina, J., Vicente-Carbajosa, J., Meneses, C. , Canessa, P., Moreno, A., Blanco-Herrera, F. WRKY7, -11 AND -17 transcription factors modulate the bZIP28 branch of the unfolded protein response during PAMP-triggered immunity in <i>Arabidopsis thaliana</i> . XIII Plant Biology Meeting, December 3-6, 2018. Puerto Varas, Chile.	2018
Lillo, V., Espinoza, A., Pedreschi, R., Campos-Vargas, R., Meneses, C. Identification of metabolite and lipid profile associated with mealiness in peach. XIII Plant Biology Meeting, December 3-6, 2018. Puerto Varas, Chile.	2018
Parra-Rojas, JP., Largo-Gosens, A., Carrasco, T., Celiz, J., Sepulveda, P., Temple, H., Sanhueza, D., Reyes, F., Meneses, C. , Saez-Aguayo, S., Orellana, A. Exploiting developing seeds RNA-Seq to understand mucilage formation. XIII Plant Biology Meeting, December 3-6, 2018. Puerto Varas, Chile.	2018
Frez-Muñoz, L., Zuloaga, R., Dettleff, P., Altamirano, C., Aros, C., Fuentes, M., Bastías-Molina, M., Meneses, C. , Valdés, J.A., Molina, A. Effect of cortisol on growth-related genes of rainbow trout (<i>Oncorhynchus mykiss</i>) myotubes challenged with <i>Piscirickettsia salmonis</i> . Chilean Society for Cell Biology - XXXIII Annual Meeting. November 12-16, 2019. Puerto Varas, Chile.	2019
Zurita-Silva, A., Alfaro, C., Castillo, D., Arancibia, V., Montoya, M., Arenas-Morales, V., Nuñez-Lillo, G., Meneses, C. Unlocking and assessing the performance of local genetic resources as strategy to mitigate climate changes. XLII Reunión de la Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular de Chile/ XIV Reunión de Biología Vegetal. October 8-11, 2019. Iquique Chile.	2019
Alarcón, J., Márquez, S., Meneses, C. , Castro-Nallar, E. Genomic and metagenomic exploration of microbial endophytes and population structure of <i>Araucaria araucana</i> in Chile. XLII Reunión de la Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular de Chile/ XIV Reunión de Biología Vegetal. October 8-11, 2019. Iquique Chile.	2019
Urra, C., Pavez-Reyes, C., Minio, A., Miossec, M., Balladares, C., Castro, A., Cantu, D., Meneses C⁺ . Elucidating the clonal diversity and genetic variation in <i>Vitis vinifera</i> cv Cabernet Sauvignon. XLII Reunión de la Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular de Chile/ XIV Reunión de Biología Vegetal. October 8-11, 2019. Iquique Chile. (* <i>Oral presentation</i>)	2019
Olmedo, P., Balladares, C., Sepúlveda, P., Delgado-Rioseco, J., Zepeda, B., Blanco-Herrera, F., Meneses, C. , Defilippi, B., Pedreschi, R., Campos-Vargas, R. Cell wall metabolism in contrasting firmness table grapes during development and ripening. XLII Reunión de la	2019

Sociedad de Bioquímica y Biología Molecular de Chile/ XIV Reunión de Biología Vegetal. October 8-11, 2019. Iquique Chile.	
---	--

41. Apuntes de Clases

41.1 Referencia completa de cada Apuntes de Clases	41.2 Año publicación

42. Participación en Revistas

42.1. Miembro Comité Editorial (Indicar Revista)	42.2 Año

42.3. Revisor (árbitro) de trabajos	42.4 Año
Tree Genetic and Genome	2015
Frontiers in Plant Science	2015-2018
Plos One	2015-2016
Biologica Research	2015
Scientia Horticulturae	2016-2018
Postharvest Biology and Technology	2018-2020
Plant	2020
Food Chemistry	2019
Genomics	2018-2019
Theoretical Applied Genetic	2017
Genomic Plant Biology	2019
Peer J	2020

I. INVESTIGACIÓN

43. Proyectos de investigación

43.1 Título proyecto	43.2 Institución que financió	43.3 Monto financiamiento Millones \$	43.4 Duración	43.5 Año inicio	43.6 Investigador (P) principal (A) asociado
Fortalecimiento del mejoramiento genético de duraznero mediante la vinculación internacional y la selección asistida.	CORFO	120	10 años	2009	(A)
Programa de mejora genética de kiwi Chile-Italia. Plataforma de selección asistida.	FONDEF	250	7 años	2012	(A)
Identification of genes involved in the expression of traits associated with fruit quality in peach using the co-localization between QTLs and eQTLs.	FONDECYT Iniciación	75	4 años	2012	(P)
Identificación y validación de marcadores moleculares asociados a calidad de fruto en duraznero a través de genómica y metabolómica.	FONDEF Genoma 4	463	5 años	2014	(A)
Saturación de un mapa de ligamiento genético de duraznero utilizando SNPs descubiertos por secuenciación de alto rendimiento.	Interno UNAB	10	2 años	2014	(P)
Generación de marcadores para atributos de calidad de impacto económico en postcosecha de duraznos y nectarines.	CORFO	334	5 años	2014	(A)
Generación de marcadores moleculares asociados a requerimiento de frío y fecha de floración en cerezos.	CORFO	450	5 años	2014	(P)
Implementación de una plataforma de marcadores genéticos de apoyo al mejoramiento genético en frutales.	CORFO	125	5 años	2014	(P)
Análisis fisiológico y molecular de la textura del mesocarpo de bayas de uva de mesa.	FONDECYT	15	3 años	2014	(Patrocinante)
Centro de Excelencia UC Davis-Chile (Línea II): Whole Genome Analytics-Genetics identification of clones/rootstocks for grapevine.	CORFO	300	3 años	2016	(P)
Discovery of Biomarker candidates linked to table grape berry firmness based on transcriptomic and metabolomic analyses.	FONDECYT	200	5 años	2015	(A)
Centro de Regulación del genoma (CRG).	FONDAP	100	5 años	2016	(A)
Identification of biomarkers associated with mealiness in peach using mQTL and meQTL.	FONDECYT	200	4 años	2016	(P)

Influence of drought on the efficiency of arbuscular mycorrhizal symbiosis in phosphorus acquisition by plants growing in Andisols from Southern Chile: wheat as a crop model.	FONDECYT	200	4 años	2017	(A)
Unveiling the bases of temperature modulation in ethylene response on avocado: another chilling dilemma for fruit ripening?	FONDECYT	200	4 años	2017	(A)
Centro de Excelencia UC Davis-Chile (Línea II): Whole Genome Analytics-Genetics identification of clones/rootstocks for grapevine. ETAPA II	CORFO	300	2 años	2018	(P)
Epigenetic control of maturity date in <i>Prunus persica</i> by integrating transcriptomic and epigenomic approaches	FONDECYT	200	4 años	2020	(P)
AgroIA: Innovación basada en visión computacional y Deep Learning para el sector productivo de uva de mesa y vino.	FONDEF IDeA	150	3 años	2019	(A)
Study of cytokinin applications in early stages of berry development on changes in cell wall metabolism and its effect on the grape firmness in <i>Vitis vinifera</i>	FONDECYT	200	4 años	2020	(A)
Núcleo Milenio para el Desarrollo de Plantas Super Adaptables	ANID-IM	450	3 años	2022	(A)
Strengthening of a Smart Breeding Platform to accelerate the selection of new plant species adapted to water restriction scenario in Chile	ANID	200	3 años	2022	(A)

43.7. Evaluación de proyectos de investigación científica

Fuente de Financiamiento	País	Año
FONDECYT	CHILE	2013-2022
FONDEF	CHILE	2015-2022
CONICYT – BMBF	CHILE	2015-2020

43.8. Administración en investigación científica

Organización y calidad	País	Año
CONICYT-FONDECYT <i>Miembro del GE Agronomía</i>	Chile	2017-2018
CONICYT-FONDECYT <i>Director alterno del GE Agronomía</i>	Chile	2019
Ministerio de Ciencia Tecnología e Innovación <i>Asesor Comité Vigilancia Genómica</i> <i>Decreto N° 10 de fecha 17/06/2021 de CTCI</i>	Chile	2021- hasta la fecha

J. CREACIÓN ARTÍSTICA

44. Autoría de obras (plástica, artes de la representación y música)

44.1 Nombre de la obra	44.2 Area del arte a que pertenece	44.3 Circulación de obra

45. Proyectos de creación

45.1 Título proyecto	45.2 Institución que financió	45.3 Monto financiamiento (millones de \$)	45.4 Duración	45.5 Año inicio	45.6 Artista: (P) principal (A) asociado

K. EXTENSIÓN

46. Indicar las 10 actividades de extensión

46.1 Curso	46.2 Nombre institución	46.3 Duración	46.4 Año
Utilización de tecnología NGS para el descubrimiento y la genotipificación de marcadores moleculares. <i>Responsable principal</i>	Facultad de Ciencias Biológicas (UNAB)	5 días	2013
Encuentro Genética Cuantitativa y de Poblaciones. <i>Expositor y organizador</i>	Universidad de Santiago	1 día	2014
Identificación de genes candidatos y marcadores moleculares asociados a caracteres de calidad del fruto utilizando estrategias ómicas. <i>Expositor principal</i>	Centro de Estudios Avanzados en Fruticultura (CEAF).	1 día	2016
Identification of candidate genes and molecular markers associated with fruit quality in peach using omics technologies. Workshop: Postharvest-omics data integration into metabolomic networks. <i>Expositor</i>	Pontificia Universidad Católica de Valparaíso	2 días	2017
Identification of candidate genes and molecular markers associated with fruit quality in peach (<i>Prunus persica</i> (L.) Batsch using omics strategies. <i>Expositor (actividad online)</i>	University of Maryland	1 día	2020

L. BECAS, PREMIOS, DISTINCIONES

47. Nombre becas, premios y distinciones.

47.1 Nombre	47.2 Nombre institución	47.3 Año
Beca MINEDUC	MINEDUC-Gobierno de Chile	1996
Beca Presidente de la República Estudios de doctorado en el Extranjero	MIDEPLAN – Gobierno de Chile	2007
Beneficiario de Beca Conicyt Estudios de Doctorado en el Extranjero	CONICYT	2008-2010
Fellow UC Davis (<i>Distinción</i>)	UC Davis	2017
Premio Investigación 2018 Facultad de Ciencias de la Vida	Universidad Andrés Bello	2018
Premio Investigación 2019 VRID-UNAB	Universidad Andrés Bello	2019
Aporte Científico pandemia Covid-19 VRID-UNAB	Universidad Andrés Bello	2021

M. SOCIEDADES CIENTÍFICAS O ASOCIACIONES PROFESIONALES A QUE PERTENECE

48.1 Nombre sociedad científica o asociación profesional.
Sociedad de Biología Vegetal de Chile (Vicepresidente 2020-2022)

N. IDIOMAS

49.1 Idioma	49.2 Nivel Avanzado (<i>lee, escribe y habla con fluidez</i>)	49.3 Nivel Intermedio (<i>lee y escribe</i>)	49.4 Nivel básico (<i>sólo lee</i>)
Inglés	X		

O. DIFUSION

50.1 Nombre de la actividad y medio de difusión.
Meneses, C. 2012. Marcadores moleculares y mejoramiento genético. Convención PMA Fruittrade. Rueda Internacional de negocios de frutas y hortalizas de exportación chilena. Sesión de biotecnología, 8-9 de octubre de 2012. Espacio Riesco, Santiago, Chile. Invitado.
Meneses, C. 2013. VII Congreso de Estudiantes de Biología. Marcadores moleculares y mejoramiento genético en Plantas. Santiago, 17 de octubre de 2013.
Meneses, C. 2013. Estado actual y proyecciones de los marcadores moleculares como apoyo al mejoramiento genético en frutales. Convención PMA Fruittrade. Rueda Internacional de negocios de frutas

y hortalizas de exportación chilena. Sesión de biotecnología, 12-13 de noviembre de 2013. Espacio Riesco, Santiago, Chile. Invitado.

Entrevista Revista Mundoagro. Mejoramiento genético y biotecnología vegetal. Año 7, Número 73. Diciembre 2015.

Meneses, C. 2016. Mejorando las plantas: Desde la genética a la genómica. 4º Taller de Actualizaciones en Biología para profesores de Enseñanza Media. Concepción, 6 al 8 de enero, 2016.



Firma

02-05-2022

Fecha